



AGH

Akademia Górniczo-Hutnicza
Wydział Elektrotechniki, Automatyki,
Informatyki i Inżynierii Biomedycznej



Adrian Horzyk

WSTĘP DO INFORMATYKI

Grafy **i struktury grafowe**



DEFINICJA GRAFU



Graf to struktura danych składająca się z **wierzchołków** i **krawędzi**, łączących dwa wierzchołki.

Grafem nieskierowanym nazywamy parę $G = (V, E)$, gdzie V jest niepustym i skończonym zbiorem wierzchołków (węzłów), a E jest dowolnym skończonym zbiorem krawędzi $E \subseteq P_2(V)$ rozpoczynających się w jednym a kończących się w drugim wierzchołku, reprezentowanych w postaci nieuporządkowanych par elementów zbioru V .

Wierzchołki grafu mogą być etykietowane, kolorowane, krawędzie ważone, niosąc dodatkową informację.

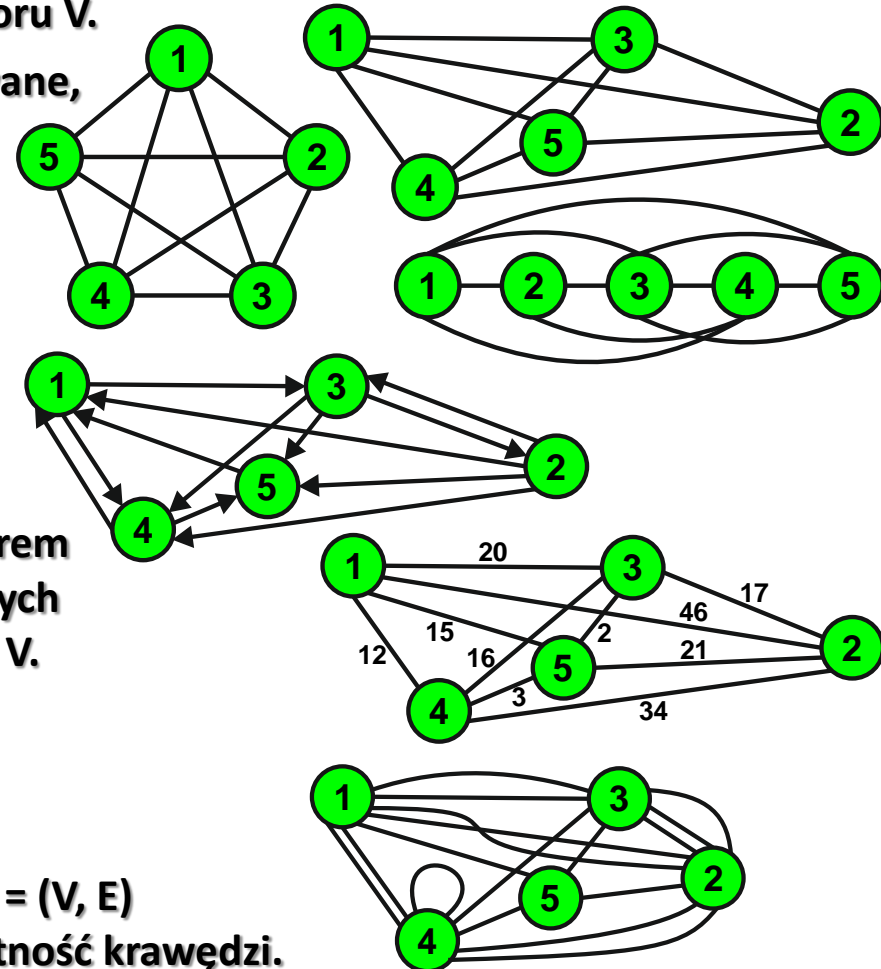
Grafem pełnym nazywamy graf, w którym każde dwa wierzchołki są ze sobą połączone krawędzią. Graf pełny zawierający k wierzchołków nazywamy **k -kliką**.

Grafem skierowanym nazywamy parę $G = (V, D)$, gdzie V jest niepustym i skończonym zbiorem wierzchołków, a D jest dowolnym skończonym zbiorem **krawędzi skierowanych** $D \subseteq P(V, V)$, reprezentowanych w postaci uporządkowanych par elementów zbioru V .

Grafem ważonym nazywamy trójkę $G = (V, E, w)$, gdzie $G = (V, E)$ jest grafem, a $w: E \rightarrow \mathbb{R}$ jest funkcją określającą **wagę** krawędzi.

Multigrafem nazywamy trójkę $G = (V, E, \varphi)$, gdzie $G = (V, E)$ jest grafem, a $\varphi: E \rightarrow \mathbb{N}$ jest funkcją określającą **krotność** krawędzi.

W multigrafie dopuszcza się istnienie **pętli** i krawędzi wielokrotnie łączących te same wierzchołki.



WŁAŚCIWOŚCI GRAFU



Graf jest spójny, gdy istnieje droga w grafie pomiędzy każdą parą wierzchołków.

Lasem nazywamy graf, którego żaden podgraf nie zawiera cyklu.

Wierzchołki nazywamy **sąsiednie**, jeśli istnieje krawędź (skierowana lub nieskierowana) pomiędzy nimi.

Wierzchołek nazywamy **izolowanym**, jeśli nie jest połączony żadną krawędzią z innym wierzchołkiem.

Wierzchołki incydentne to wierzchołki, do których prowadzi krawędź z danego wierzchołka.

Stopień wierzchołka w grafie G określony jest poprzez jego ilość wierzchołków incydentnych, tzn. krawędzi wychodzących z niego.

Ścieżką (drogą) w grafie nazywamy ciąg krawędzi, po których należy przejść od wierzchołka startowego do wierzchołka końcowego poprzez ew. wierzchołki pośrednie.

W grafie może istnieć wiele różnych ścieżek pomiędzy tymi samymi wierzchołkami.

Długość ścieżki (drogi) w grafie określona jest przez ilość krawędzi na tej ścieżce (drodze).

Ścieżkę nazywamy **prostą**, jeśli przez każdą krawędź na ścieżce przechodzimy tylko raz.

Najkrótsza ścieżka w grafie pomiędzy dwoma wierzchołkami to ścieżka o minimalnej ilości krawędzi spośród dostępnych ścieżek prowadzących pomiędzy tymi wierzchołkami.

Najkrótsza ścieżka w grafie ważonym określana jest przez minimalną sumę wag krawędzi na ścieżkach prowadzących pomiędzy dwoma wierzchołkami.

WŁAŚCIWOŚCI GRAFU



Ścieżką Hamiltona nazywamy ścieżkę prostą przechodzącą przez wszystkie wierzchołki grafu dokładnie raz.

Ścieżką Eulera nazywamy ścieżkę prostą przechodzącą przez wszystkie krawędzie grafu dokładnie raz.

Cyklem w grafie nazywamy ścieżkę (drogę) zamkniętą, czyli taką, która rozpoczyna się i kończy w tym samym wierzchołku grafu.

Cyklem Hamiltona nazywamy cykl prosty przechodzący przez wszystkie wierzchołki grafu dokładnie raz (rozpoczynający się i kończący w tym samym wierzchołku).

Cyklem Eulera nazywamy cykl prosty przechodzący przez wszystkie krawędzie grafu dokładnie raz (rozpoczynający się i kończący w tym samym wierzchołku).

Graf nazywamy **acyklicznym**, jeśli nie posiada żadnych cykli.

Graf nazywamy **planarnym**, jeśli da się go narysować na płaszczyźnie tak, aby żadne jego krawędzie nie przecinały się.

Pętlą w grafie nazywamy krawędź łączącą wierzchołek sam ze sobą.

REPREZENTACJA GRAFU



Grafy nie są strukturą hierarchiczną ani liniową, ich wierzchołki mogą mieć różną ilość krawędzi wychodzących (różną ilość incydenentnych wierzchołków), więc struktura grafu nie odzwierciedla w naturalny sposób budowy pamięci komputerowych RAM.

Implementując grafy wykorzystujemy tablice lub listy do przechowywania informacji na temat sąsiednich (incydenentnych) wierzchołków lub łączących je krawędzi.

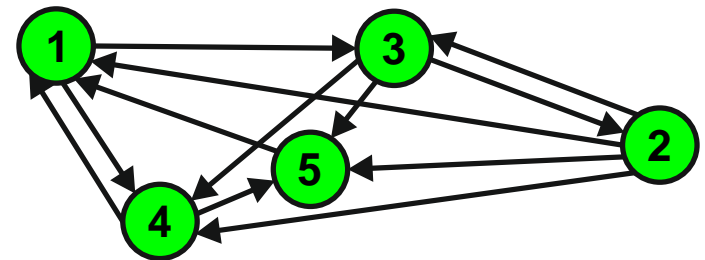
Grafy reprezentujemy i implementujemy zwykle w postaci:

- **Listy krawędzi** (*list of edges*)
- **Macierzy sąsiedztwa** (*adjacency matrix*)
- **Macierzy incydencji** (*incidence matrix*)
- **Listy sąsiedztwa** (*adjacency list*)

Przy założeniu, iż żaden wierzchołek w grafie nie jest izolowany,

lista krawędzi składa się z dwójek lub trójek, zawierających:

- etykietę wierzchołka, z którego krawędź wychodzi,
- etykietę wierzchołka, do którego krawędź dochodzi,
- wagę krawędzi (opcjonalnie).



PRZYKŁAD: [(1,3) , (1,4) , (2,1) , (2,3) , (2,4) , (2,5) , (3,2) , (3,4) , (3,5) , (4,1) , (4,5) , (5,1)]

MACIERZ SĄSIEDZTWA



Macierz sąsiedztwa jest macierzą kwadratową o stopniu równym ilości wierzchołków grafu.

Każdy wierzchołek grafu jest indeksowany jedną z kolejnych liczb od 0 do N-1, gdzie N określa ilość wierzchołków takiego grafu.

Indeksy wierszy macierzy sąsiedztwa odpowiadają indeksom wierzchołków startowych v_i .

Indeksy kolumn macierzy sąsiedztwa odpowiadają indeksom wierzchołków końcowych v_j .

Każda komórka takiej macierzy reprezentuje jedno możliwe połączenie pomiędzy wierzchołkami v_i oraz v_j :

0 – oznacza brak krawędzi

1 – oznacza istniejącą krawędź

albo w - oznacza wagę krawędzi

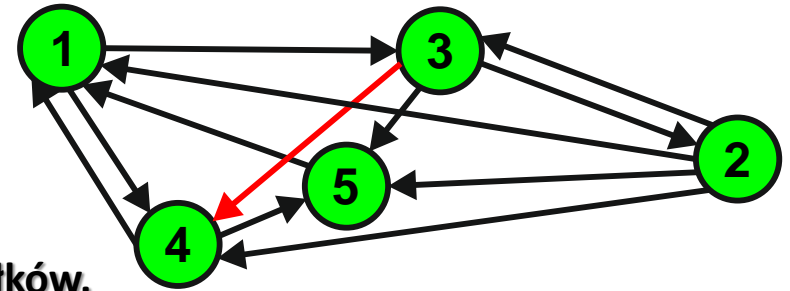
i-ty wiersz takiej macierzy jest listą indeksów wierzchołków, do których prowadzą krawędzie z wierzchołka o indeksie i, gdy wartości w komórce są niezerowe.

3	0	1	0	1	1
---	---	---	---	---	---

j-ty wiersz takiej macierzy jest listą indeksów wierzchołków, z których prowadzą krawędzie do wierzchołka o indeksie j, gdy wartości w komórce są niezerowe.

3
1
1
0
0
0

Macierz sąsiedztwa dla grafu nieskierowanego jest symetryczna względem głównej przekątnej, ponieważ jeśli istnieje krawędź (v_i, v_j) , to istnieje również krawędź (v_j, v_i) .



		v _j - WIERZCHOŁEK KOŃCOWY				
		1	2	3	4	5
v _i - WIERZCHOŁEK STARTOWY	1	0	0	1	1	0
	2	1	0	1	1	1
	3	0	1	0	1	1
	4	1	0	0	0	1
	5	1	0	0	0	0

MACIERZ SĄSIEDZTWA



Stopień i wierzchołka grafu nieskierowanego wyznaczmy zliczając liczbę niezerowych komórek w i -tym wierszu macierzy sąsiedztwa.

Stopień i wierzchołka grafu skierowanego wyznaczmy zliczając liczbę niezerowych komórek w i -tym wierszu oraz i -tej kolumnie macierzy sąsiedztwa. Możemy też osobno policzyć ilość krawędzi wychodzących (w wierszach) oraz ilość krawędzi wchodzących (w kolumnach).

Indeksy **sąsiadów** wierzchołka i -tego znajdziemy w i -tym wierszu, jeśli wartość pola jest niezerowa.

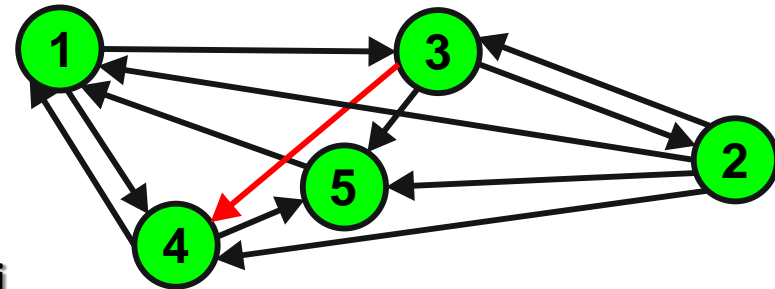
i -ty wierzchołek jest **izolowany**, jeśli zarówno i -ty wiersz jak również i -ta kolumna zawiera same zera.

Wierzchołki zawierające **pętle** posiadają niezerowe wartości na przekątnej macierzy sąsiedztwa.

Sprawdzenie istnienia krawędzi pomiędzy wierzchołkami w macierzy sąsiedztwa jest operacją o złożoności $O(1)$.

Wadą takiej reprezentacji jest **kwadratowa złożoność pamięciowa**.

Wiele pól takich macierzy zawiera zera, poza przypadkiem grafów pełnych (klik).



		Vj - WIERZCHOŁEK KOŃCOWY				
		1	2	3	4	5
Vi - WIERZCHOŁEK STARTOWY	1	0	0	1	1	0
	2	1	0	1	1	1
	3	0	1	0	1	1
	4	1	0	0	0	1
	5	1	0	0	0	0

MACIERZ INCYDENCJI



Macierz incydencji jest macierzą o wymiarze $N \times K$, gdzie N – oznacza ilość wierzchołków grafu, a K liczbę jego krawędzi. Każdy wiersz odwzorowuje jeden wierzchołek grafu, a każda kolumna jedną jego krawędź. Zawartość komórki takiej macierzy określa powiązanie i -tego wierzchołka z k -tą krawędzią w następujący sposób dla grafu skierowanego:

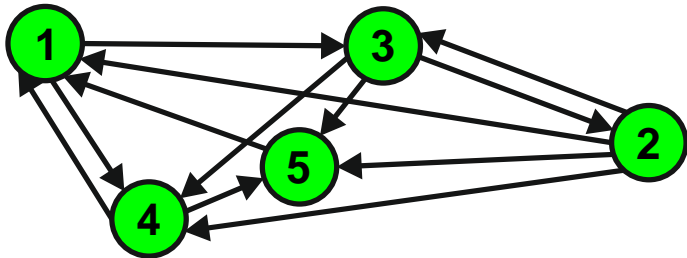
- 0 – oznacza, że i -ty wierzchołek nie jest ani początkiem ani końcem k -tej krawędzi,
- 1 albo w – oznacza, że i -ty wierzchołek jest początkiem k -tej krawędzi (o wadze w - opcjonalnie),
- -1 – oznacza, że i -ty wierzchołek jest końcem k -tej krawędzi.

Jeśli graf jest nieskierowany, wtedy początek i koniec oznaczony jest wartością 1.

Jeśli graf zawiera pętle, wtedy początek i koniec wypada w tym samym wierzchołku, co zaznaczamy w takim grafie wartością 2. Krawędzie wielokrotne możemy reprezentować więc bez trudu.

Ze względu na to, iż każda krawędź ma dokładnie jeden początek i jeden koniec, w każdej kolumnie takiej macierzy występuje dokładnie jedna 1 i jedna -1, a pozostałe wartości są 0.

Każdy wiersz takiej macierzy może natomiast zawierać wiele 1 i -1, gdyż może być początkiem lub końcem wielu krawędzi.



i -ty wiersz dla wierzchołka izolowanego zawiera same zera.

Złożoność pamięciowa: $O(N \times K)$

		Vk - KRAWĘDŹ											
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	11
Vi - WIERZCHOŁEK STARTOWY	1	1	1	-1	0	0	0	0	0	0	-1	0	-1
	2	0	0	1	1	1	1	-1	0	0	0	0	0
	3	-1	0	0	-1	0	0	1	1	1	0	0	0
	4	0	-1	0	0	-1	0	0	-1	0	1	1	0
	5	0	0	0	0	0	-1	0	0	-1	0	-1	1

LISTA SĄSIEDZTWA



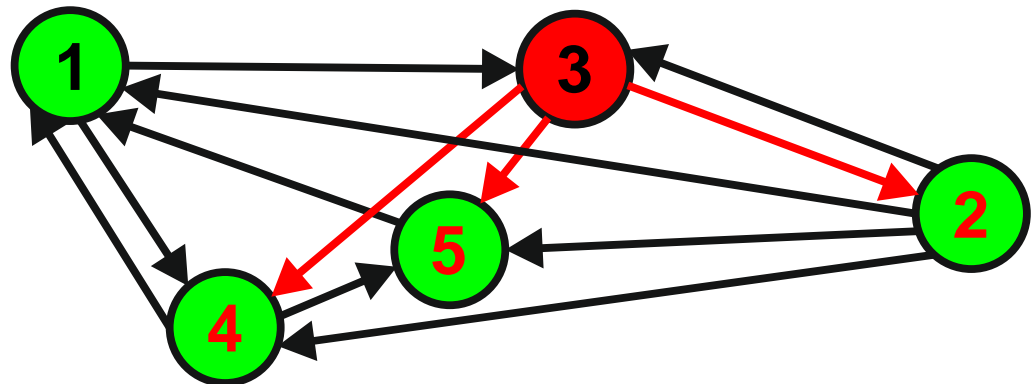
Lista sąsiedztwa implementowana jest jako tablica list (w Pythonie jako lista list), tzn. każdy element listy wierzchołków startowych zawiera listę wierzchołków końcowych, czyli listę sąsiadów, z którymi jest połączony krawędzią.

Nieco trudniej w grafie skierowanym znajdujemy wierzchołki, od których prowadzi krawędź do danego wierzchołka, gdyż trzeba przeszukać wszystkie listy zawierające indeks wierzchołka końcowego $O(K)$, lecz częściej interesuje nas lista sąsiadów, czyli do których wierzchołków prowadzi krawędź z danego wierzchołka. Problem ten nie występuje w przypadku grafów nieskierowanych.

To zdecydowanie najefektywniejszy (pod względem pamięciowym) i najczęściej stosowany sposób implementacji grafu, gdyż nie zawiera niewykorzystanych komórek pamięci (za wyjątkiem wierzchołków izolowanych).

Chcąc zapisać wagę krawędzi, należy wykorzystać listę list obiektów (klas), których kluczem jest indeks (etykieta) wierzchołka docelowego, a wewnątrz klasy zapisana jest waga.

	Vj - WIERZCHOŁEK KOŃCOWY				
Vi - WIERZCHOŁEK STARTOWY	1	3	4		
	2	1	3	4	5
	3	2	4	5	
	4	1	5		
	5	1			



PRZECHODZENIE PO WIERZCHOŁKACH GRAFU



Po wierzchołkach grafu nie sposób przechodzić w sposób liniowy, więc najczęściej stosowane są drzewa rozpięte na grafie oraz algorytmy wykorzystywane do przeszukiwania drzew.

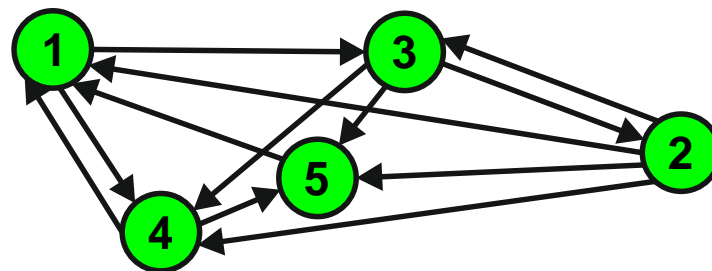
W grafach jednak mogą występować cykle i pętle, co mogłoby spowodować zapętlenie się takiego algorytmu i kręcenie się po tych samych wierzchołkach wielokrotnie.

Dla uniknięcia tego stosujemy dodatkowy parametr typu boolowskiego, w którym zapisujemy, czy wierzchołek został już odwiedzony/przeszukany czy też nie.

Jeśli więc wzbogacimy algorytmy przeszukiwania drzew o taki parametr, będziemy mogli wykorzystać algorytmy:

DFS – *depth first search* – przeszukiwanie wgłąb,

BFS – *breadth first search* – przeszukiwanie wszerek również do przeszukiwania grafów.



Przejście grafu (*graph traversal*) algorytmem DFS wykonujemy następująco:

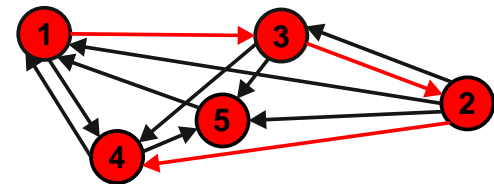
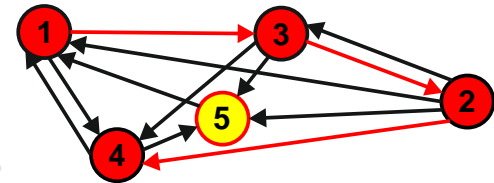
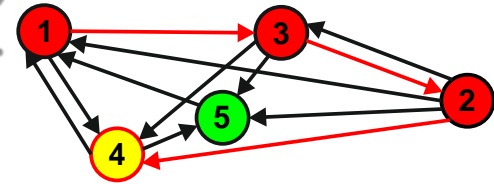
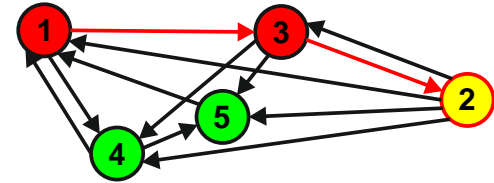
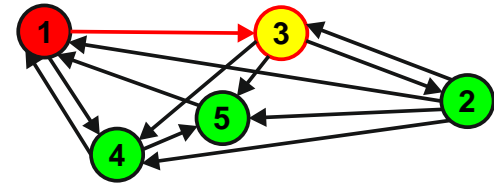
1. Przeszukujemy bieżący wierzchołek.
2. Zaznaczamy bieżący wierzchołek jako przeszukany.
3. Przechodzimy do pierwszego nie przeszukanego jeszcze wierzchołka incydentnego bieżącego wierzchołka.
4. Jeśli wszystkie incydentne wierzchołki zostały już przeszukane, wtedy wracamy do wierzchołka, z którego przeszliśmy do tego wierzchołka i wykonujemy w nim punkt 3.
5. Kończymy przeszukiwać graf, gdy wierzchołek nie posiada poprzednika, z którego weszliśmy.

	V _j - WIERZCHOŁEK KOŃCOWY				
V _i - WIERZCHOŁEK STARTOWY	1	3	4		
	2	1	3	4	5
	3	2	4	5	
	4	1	5		
	5	1			

PRZECHODZENIE PO GRAFIE ALGORYTMEM DFS



1. Rozpoczynamy przeszukiwanie grafu od wierzchołka nr 1.
2. Przechodzimy do pierwszego jego incydentnego i jeszcze nie odwiedzonego wierzchołka, czyli do wierzchołka nr 3.
3. Z wierzchołka nr 3. przechodzimy do jego pierwszego incydentnego, nie odwiedzonego wierzchołka nr 2.
4. Przeszukując listę incydentnych wierzchołków wierzchołka nr 2, pomijamy wierzchołek nr 1 i nr 3, gdyż one były już odwiedzone, znajdując wierzchołek nr 4 jako pierwszy jeszcze nieodwiedzony.
5. W wierzchołku nr 4 na liście incydencji pomijamy odwiedzone wcześniej wierzchołek nr 1 i dochodzimy do nieodwiedzzonego jeszcze wierzchołka nr 5 i przechodzimy do niego.
6. Na liście incydencji w wierzchołku nr 5 nie znajduje się już żaden jeszcze nieodwiedzony wierzchołek, więc wycofujemy się.
7. Podobnie postępujemy w wierzchołkach nr 4, 2, 3, 1, gdzie też nie znajdujemy już żadnego nieodwiedzzonego wierzchołka.
8. Kończymy przeszukiwanie grafu.



	Vj - WIERZCHOŁEK KOŃCOWY				
Vi - WIERZCHOŁEK STARTOWY	1	3	4		
	2	1	3	4	5
	3	2	4	5	
	4	1	5		
	5	1			



	Vj - WIERZCHOŁEK KOŃCOWY				
Vi - WIERZCHOŁEK STARTOWY	1	3	4		
	2	1	3	4	5
	3	2	4	5	
	4	1	5		
	5	1			



	Vj - WIERZCHOŁEK KOŃCOWY				
Vi - WIERZCHOŁEK STARTOWY	1	3	4		
	2	1	3	4	5
	3	2	4	5	
	4	1	5		
	5	1			



	Vj - WIERZCHOŁEK KOŃCOWY				
Vi - WIERZCHOŁEK STARTOWY	1	3	4		
	2	1	3	4	5
	3	2	4	5	
	4	1	5		
	5	1			



	Vj - WIERZCHOŁEK KOŃCOWY				
Vi - WIERZCHOŁEK STARTOWY	1	3	4		
	2	1	3	4	5
	3	2	4	5	
	4	1	5		
	5	1			

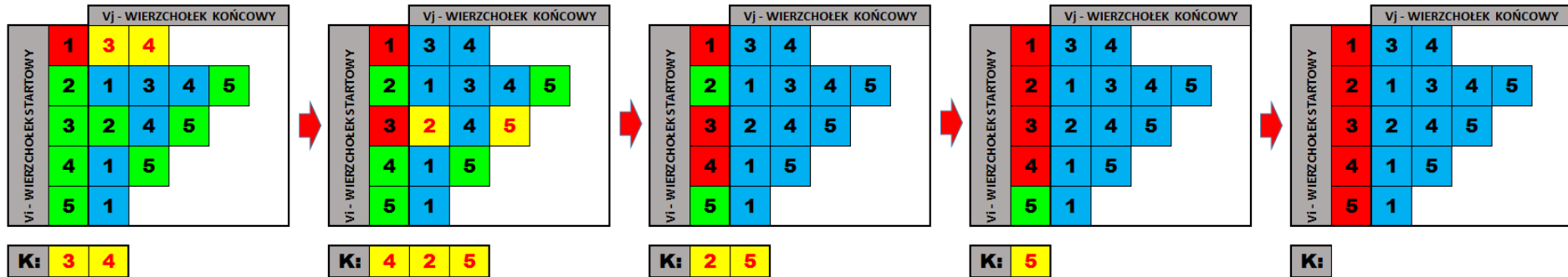
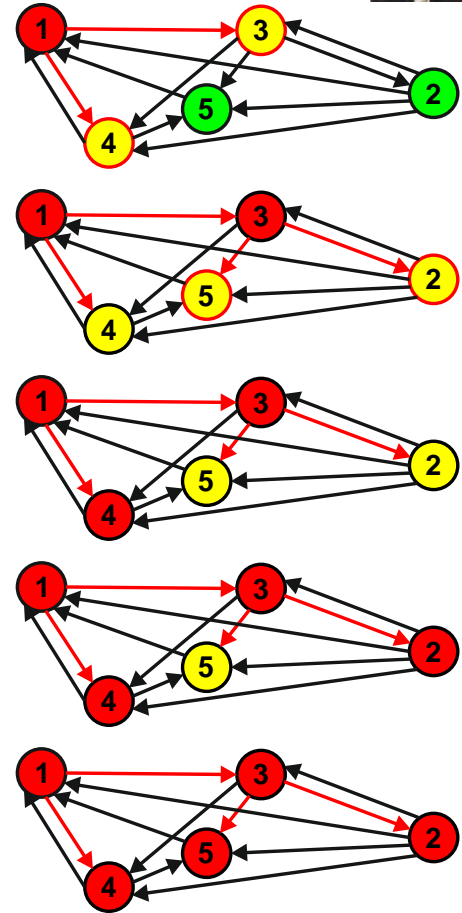
PRZECHODZENIE PO GRAFIE ALGORYTMEM BFS



Przejście grafu algorytmem BFS wykonujemy następująco:

1. Tworzymy pustą kolejkę przeszukiwanych wierzchołków.
2. Dodajemy do kolejki wierzchołek, od którego rozpoczynamy przeszukiwanie grafu, i zaznaczamy go jako uwzględniony w przeszukiwaniu (odwiedzony).
3. Ściągamy z kolejki pierwszy wierzchołek i go przeszukujemy.
4. Do kolejki przeszukiwanych wierzchołków wpisujemy wszystkie jego incydentne wierzchołki, które nie zostały dotąd jeszcze przeszukane i zaznaczamy je jako uwzględnione w przeszukiwaniu.
5. Przechodzimy do punktu 3.
6. Kończymy przeszukiwać graf, gdy kolejka zostanie opróżniona.

Ilość potencjalnie dodawanych elementów do kolejki może być $O(N)$, a więc algorytm BFS jest obciążony liniową złożonością pamięciową. Zwykle dodawanych jest mniej elementów do kolejki, lecz w przypadku grafu pełnego, zostanie dodanych $N-1$ elementów (sąsiadów).

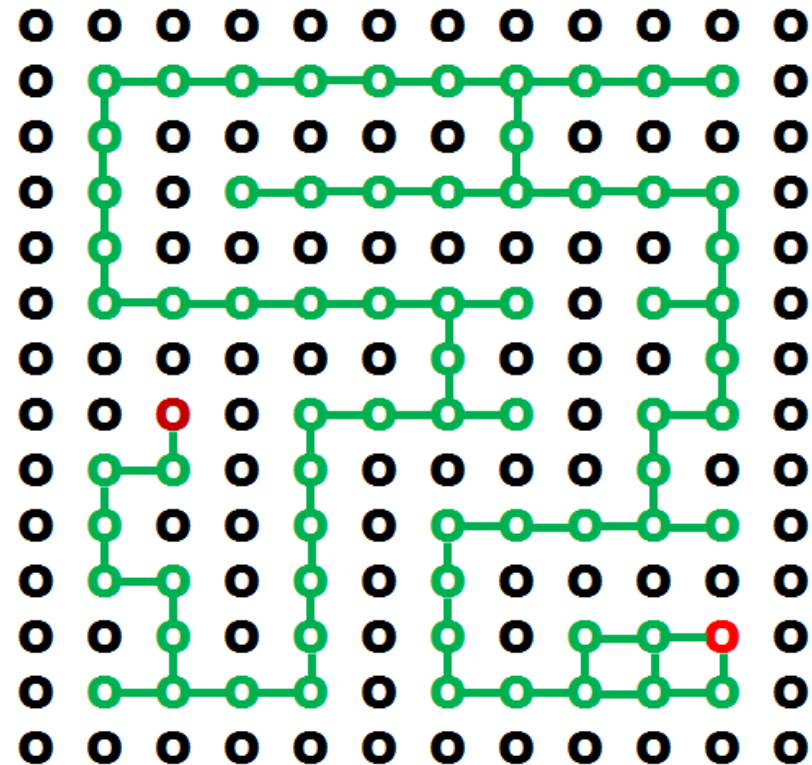


ZNAJDYWANIE DROGI W LABIRYNCIE



Założmy, że mamy określony dowolny labirynt jako macierz, w której każde pole jest wierzchołkiem grafu. Wierzchołki są ze sobą połączone, jeśli istnieje bezpośrednie przejście pomiędzy nimi. Oznacza to, iż wierzchołki reprezentujące ściany będą wierzchołkami izolowanymi. Najkrótszą drogę w grafie możemy znaleźć algorytmem BFS, który będzie przechodził od startu (korzenia drzewa BFS) do mety szukając przejścia na najwyższym poziomie w drzewie przeszukiwań, co zapewni znalezienie najkrótszej ścieżki w grafie. Do zaznaczenia odwiedzonych wierzchołków oraz drogi w wierzchołkach zapisuje się informację, skąd algorytm dotarł do danego wierzchołka (L – z lewa, P – z prawa, G – z góry, D – z dołu). Przykład demonstruje typowe przekształcenie zadania na problem grafowy i szukanie rozwiązania z wykorzystaniem teorii grafów.

#	#	#	#	#	#	#	#	#	#	#	#
#											#
#		#	#	#	#	#		#	#	#	#
#		#									#
#		#	#	#	#	#	#	#	#		#
#							#				#
#	#	#	#	#	#		#	#	#		#
#	#	M	#				#				#
#			#		#	#	#		#		#
#		#	#		#						#
#			#		#	#	#	#	#	#	#
#	#		#		#		#			S	#
#					#						#
#	#	#	#	#	#	#	#	#	#	#	#



ZAGADNIENIA GRAFOWE



Można badać różne ciekawe i potrzebne właściwości grafów:

- Spójność (umożliwiająca znalezienie drogi w grafie pomiędzy wierzchołkami)
- Znajdywanie spójnych podgrafów
- Znajdywanie silnie spójnych podgrafów
- Znajdywanie drzew rozpinających
- Znajdywanie mostów (krawędzi) i punktów artykulacji (wierzchołków), których usunięcie spowoduje zwiększenie liczby spójnych podgrafów w grafie.

Graf/Podgraf nazywamy **spójnym (*connected*)**, gdy dla każdego dwóch wierzchołków istnieje ścieżka, która je ze sobą łączy (nie koniecznie dwustronnie – w przypadku grafu/podgrafu skierowanego). Graf/Podgraf jest **niespójny** w przeciwnym wypadku.

Graf/Podgraf nazywamy **silnie spójnym (*strongly connected*)**, gdy istnieją ścieżki pomiędzy każdymi dwoma wierzchołkami tego grafu/podgrafu, czyli można z każdego wierzchołka przejść do każdego innego.

Drzewo rozpinające (*spanning tree*) to drzewo zawierające wszystkie wierzchołki grafu i część jego krawędzi. Węzły w takim drzewie połączone są istniejącymi krawędziami grafu. Może istnieć wiele różnych drzew rozpinających dla danego grafu. Drzewa te możemy znaleźć np. wcześniej omówionymi algorytmami DFS lub BFS.

Mostem (*bridge*) w grafie nazywamy każdą krawędź, której usunięcia spowoduje zwiększenie liczby spójnych podgrafów.

Punktem artykulacji (*articulation point / cut vertex*) jest każdy wierzchołek w grafie, którego usunięcie spowoduje zwiększenie liczby spójnych podgrafów.

GRAFY DWUDZIELNE



Dowolny nieskierowany, spójny graf nazywamy **dwudzielnym** (*bigraph, bipartiteness*), jeśli jego wierzchołki możemy podzielić na dwa rozłączne zbiory w taki sposób, iż wierzchołki są połączone tylko pomiędzy wierzchołkami tych zbiorów, natomiast nie istnieją połączenia pomiędzy wierzchołkami wewnątrz tych zbiorów.

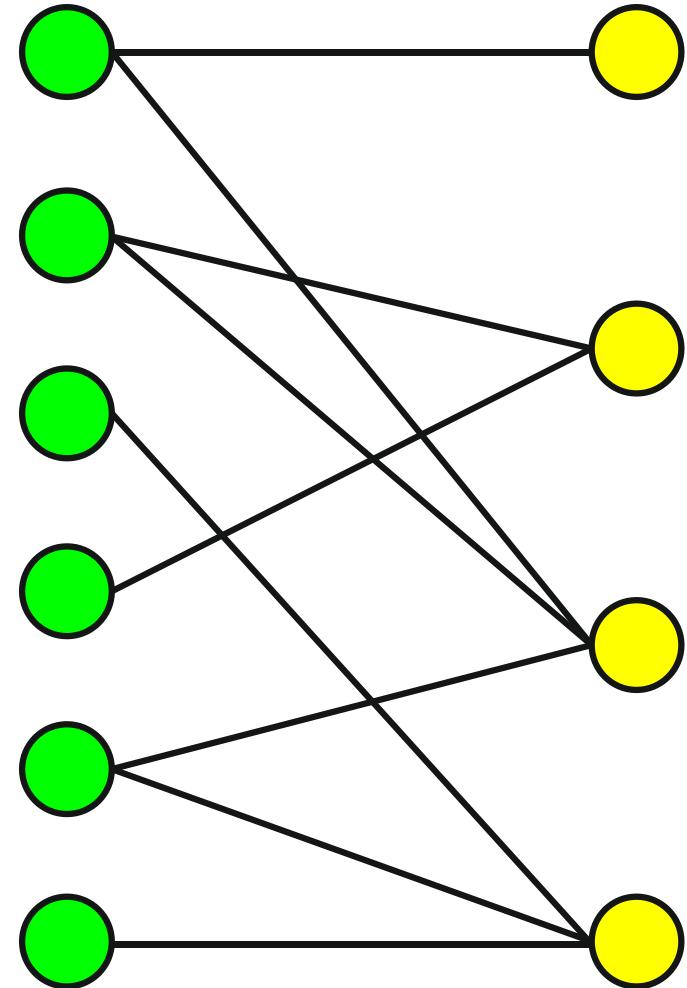
Jeśli krawędź grafu dwudzielnego łączy ze sobą wierzchołki z dwóch różnych zbiorów, wtedy graf będzie dwudzielny, jeśli uda nam się pokolorować (poetykietować) wszystkie jego wierzchołki dwoma kolorami tak, aby żaden z jego sąsiadów nie był tego samego koloru, co wierzchołek, którego sąsiedztwo rozważamy.

Szukanie grafu dwudzielnego polega na przechodzeniu po grafie algorytmem BFS lub DFS i naprzemiennym kolorowaniu kolejnych wierzchołków. Jeśli na drodze napotkamy na pokolorowany już węzeł tym samym kolorem, tzn. że graf nie jest dwudzielny.

Jeśli natomiast uda nam się w taki sposób pokolorować cały graf, wtedy graf jest dwudzielny.

Przykład i algorytm można znaleźć:

http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0131.php



PROBLEM KOJARZENIA MAŁŻEŃSTW

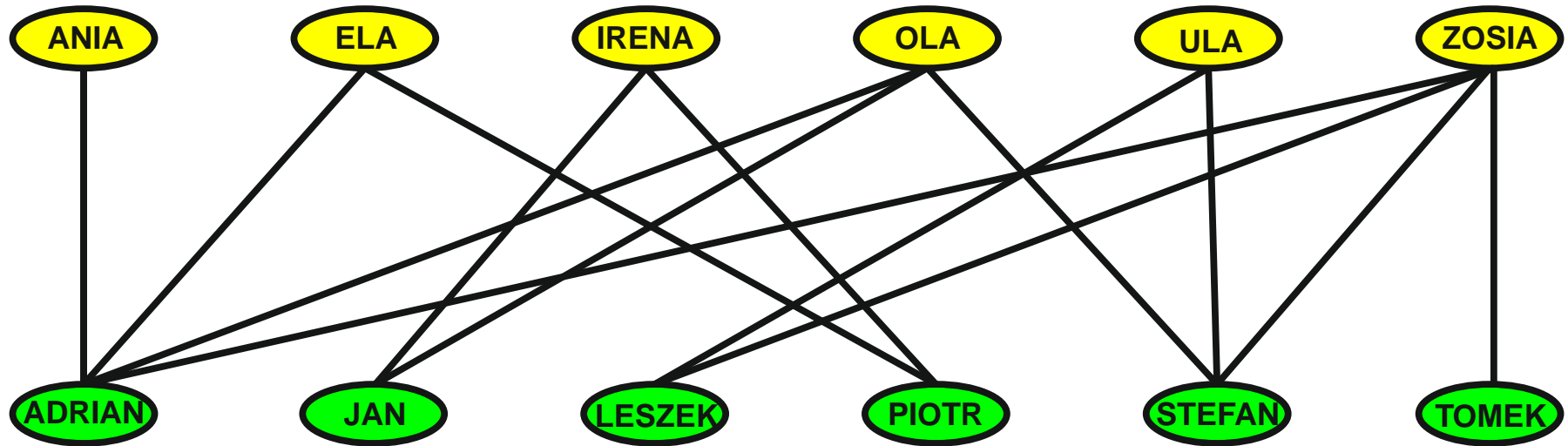


Zagadnienie kojarzenia małżeństw polega na dobraniu w pary n panien i n kawalerów, przy czym każda panien jest skłonna zaakceptować tylko jednego z $k \leq n$ kawalerów.

Jest to typowy przykład **zagadnienia grafowego**, które możemy rozwiązać przy pomocy **grafu dwudzielnego**, gdyż wierzchołki jednego zbioru reprezentują kawalerów, drugiego zbioru panny, a krawędzie określają preferencję panien.

Graf jest dwudzielny przy założeniu związków heteroseksualnych, czyli żadne dwie panny ani dwóch kawalerów nie łączy się ze sobą.

Jeśli każdy podzbiór k panien akceptuje co najmniej k kawalerów, wtedy problem jest zawsze rozwiązywalny (twierdzenie Philipa Halla). Rozważamy **ścieżki alternatywne**.



Przykład i algorytm można znaleźć:

http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0131a.php

CYKLIČZNOŚĆ GRAFÓW



Cykl jest **ścieżką zamkniętą** prowadzącą przez wierzchołki grafu w taki sposób, iż rozpoczyna się i kończy w tym samym wierzchołku.

Cykle nie muszą przechodzić po wszystkich wierzchołkach grafu, aczkolwiek często takie cykle rozważamy (np. cykl Hamiltona, cykl Eulera).

W celu sprawdzenia, czy graf zawiera jakiś cykl, wystarczy przejść po nim algorytmem DFS i jeśli natrafimy na wierzchołek wcześniej odwiedzony, tzn. że graf jest **cykliczny**.

Jeśli nie znajdziemy wcześniej odwiedzionego wierzchołka, wtedy graf jest **acykliczny**.

Przykładami **grafów acyklicznych** są **drzewa** i **lasy**.

Chcąc wyznaczyć cykl w grafie, kolejno przechodzone wierzchołki należy zapisywać na stosie. Jeśli znajdziemy odwiedzony już wierzchołek, wtedy rozbierając stos wyznaczymy cykl rozpoczynający się i kończący w tym wierzchołku.

Cykl Eulera jest ścieżką zamkniętą (cyklem), która przechodzi dokładnie jeden raz przez każdą krawędź grafu, tzn. kończy się w wierzchołku, w którym się rozpoczęła.

Cykl Hamiltona jest ścieżką zamkniętą (cyklem), która przechodzi dokładnie jeden raz przez każdy wierzchołek grafu, tzn. kończy się w wierzchołku, w którym się rozpoczęła.

Ścieżka Eulera jest ścieżką, która przechodzi dokładnie jeden raz przez każdą krawędź grafu.

Ścieżka Hamiltona jest ścieżką, która przechodzi dokładnie jeden raz przez każdy wierzchołek grafu.

Przykłady i algorytmy można znaleźć:

Cykle: http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0132.php, http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0133.php

Cykl Eulera: http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0135.php

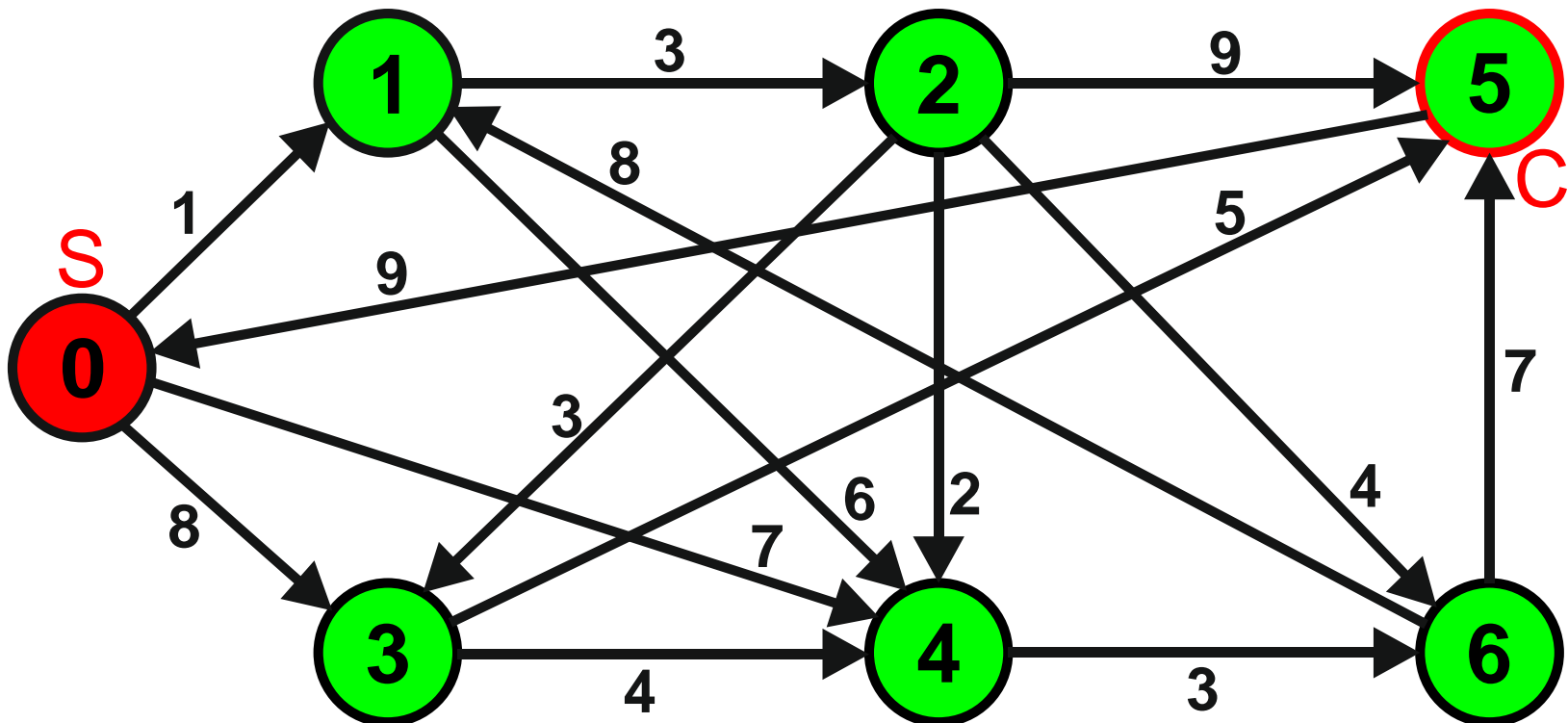
Cykl Hamiltona: http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0136.php

ALGORYTMY NAJKRÓTSZEJ ŚCIEŻKI W GRAFIE WAŻONYM DIJKSTRY, BELLMANA-FORDA, FLOYDA-WARSHALLA, A*



Szukanie **najkrótszej ścieżki w grafie ważonym prowadzącej od wybranego wierzchołka do wskazanego lub wszystkich pozostałych** jest jednym z podstawowych zagadnień w teorii grafów, mających wiele praktycznych zastosowań, np. w nawigacji satelitarnej, przesyłania wiadomości przez sieć routerów, w sieciach telekomunikacyjnych, wyznaczanie połączeń samolotowych o najniższym koszcie lub czasie przelotu itd.

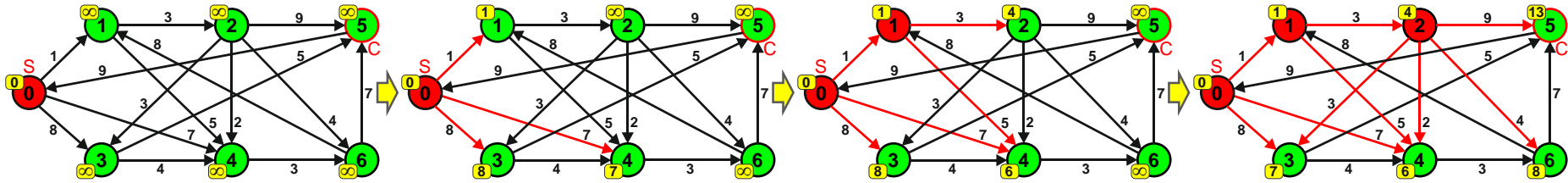
Jak dotrzeć z wierzchołka S do wierzchołka C przy najmniejszym koszcie wyznaczonym przez wagi połączeń pomiędzy wierzchołkami grafu?



ALGORYTM DIJKSTRY



W algorytmie Dijkstry każdy wierzchołek posiada cechę odległości **stałą** lub **tymczasową**, określającą najkrótszą (w sensie sumy dodatnich wag) ścieżkę prowadzącą od wierzchołka początkowego S do wierzchołka końcowego (celu) C. Na początku cechy wszystkich wierzchołków poza startowym są **tymczasowe** o wartości $+\infty$, natomiast wierzchołek startowy ma cechę **stałą** o wartości 0. W każdym kroku algorytmu wybieramy wierzchołek **u** o **najmniejszej wartości tymczasowej**, przechodzimy po wychodzących z niego krawędziach **do pozostałych wierzchołków tymczasowych v** i jeśli droga dojścia do tego wierzchołka $\text{dist}(u)$ plus wartość krawędzi $\text{dist}(u,v)$ jest mniejsza od wartości tymczasowej tego wierzchołka $\text{dist}(v)$, wtedy aktualizujemy tą wartość oraz poprzednika $\text{Succ}(v)=u$ tego wierzchołka.

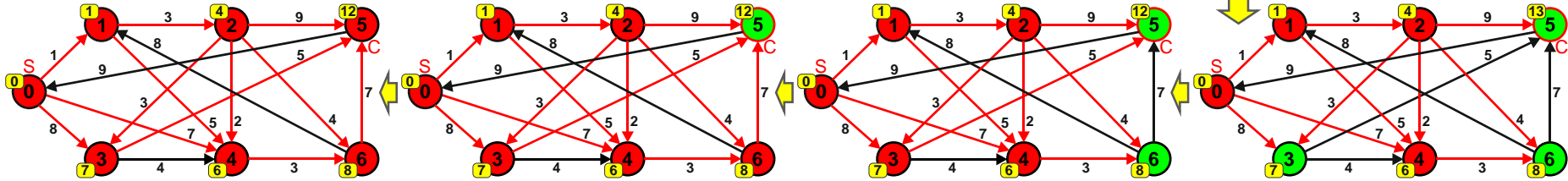


Node u:	0	1	2	3	4	5	6
Dist(u):	0	∞	∞	∞	∞	∞	∞
Succ(u):	-1	-1	-1	-1	-1	-1	-1

Node u:	0	1	2	3	4	5	6
Dist(u):	0	1	∞	8	7	∞	∞
Succ(u):	-1	0	-1	0	0	-1	-1

Node u:	0	1	2	3	4	5	6
Dist(u):	0	1	4	8	6	∞	∞
Succ(u):	-1	0	1	0	1	-1	-1

Node u:	0	1	2	3	4	5	6
Dist(u):	0	1	4	7	6	13	8
Succ(u):	-1	0	1	2	1	2	2



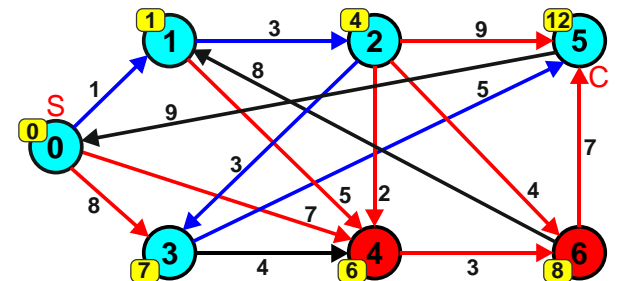
Node u:	0	1	2	3	4	5	6
Dist(u):	0	1	4	7	6	12	8
Succ(u):	-1	0	1	2	1	3	2

Node u:	0	1	2	3	4	5	6
Dist(u):	0	1	4	7	6	12	8
Succ(u):	-1	0	1	2	1	3	2

Node u:	0	1	2	3	4	5	6
Dist(u):	0	1	4	7	6	12	8
Succ(u):	-1	0	1	2	1	3	2

Node u:	0	1	2	3	4	5	6
Dist(u):	0	1	4	7	6	13	8
Succ(u):	-1	0	1	2	1	2	2

Gdy wierzchołek docelowy C przyjmie wartość stałą, wtedy możemy przerwać algorytm i odczytać wstecz drogę dojścia do tego wierzchołka od wierzchołka startowego S:



Przykłady i algorytmy można znaleźć na:

http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0138.php

Node u:	0	1	2	3	4	5	6
Dist(u):	0	1	4	7	6	12	8
Succ(u):	-1	0	1	2	1	3	2

ALGORYTM FLEURY'EGO



Algorytm 3 *Fleury'ego* szukania ścieżki Eulera w grafie spójnym $G = (V, E)$.

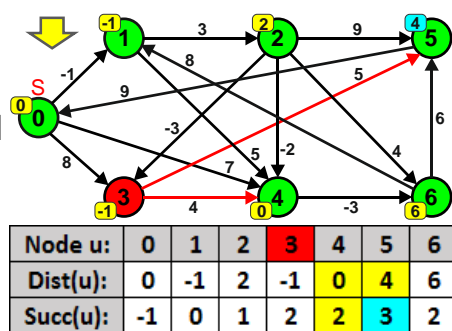
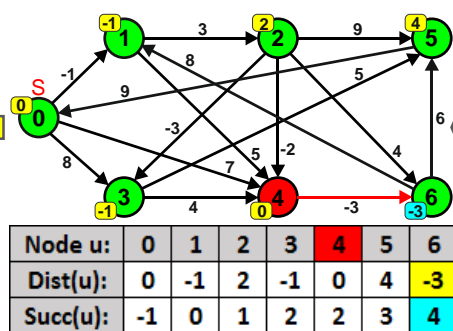
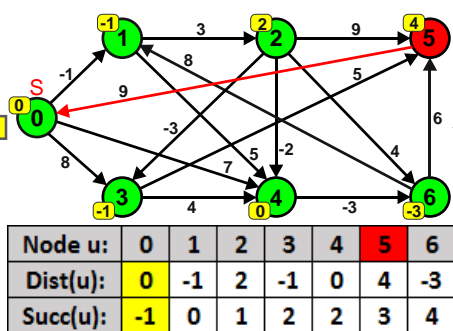
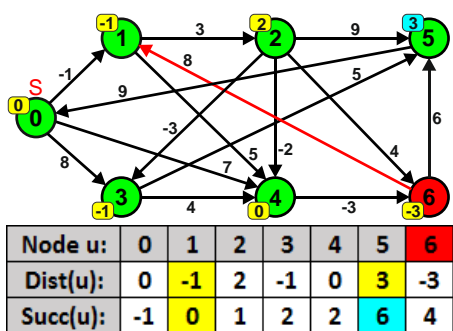
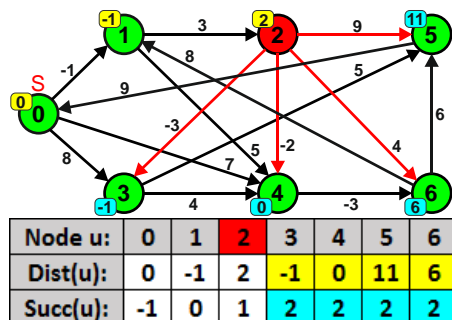
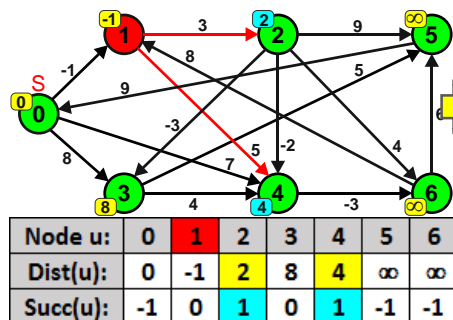
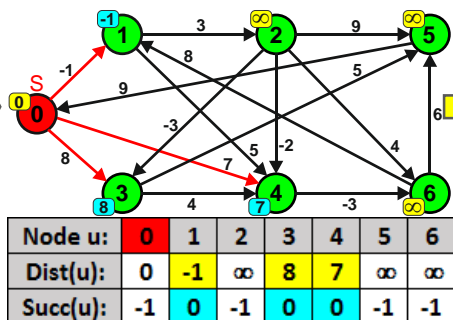
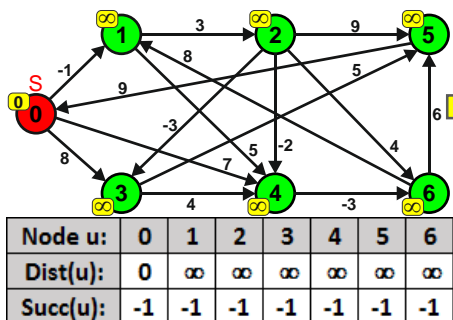
1. $P := \emptyset, H := G$
2. $l :=$ liczba wierzchołków stopnia nieparzystego w grafie
3. jeśli $l = 2$ to $v :=$ dowolny wierzchołek grafu stopnia nieparzystego w przeciwnym przypadku jeśli $l = 0$ to $v :=$ dowolny wierzchołek grafu w przeciwnym przypadku **KONIEC** (nie ma ścieżki)
4. wybierz krawędź $e \in H$ incydentną z v , nie będącą (o ile to możliwe) mostem w H
5. dodaj do ścieżki P wierzchołek v i krawędź e
6. $v :=$ drugi koniec krawędzi e
7. usuń e z grafu H
8. jeśli $H \neq \emptyset$ idź do 4
9. dodaj do ścieżki P wierzchołek v

Aby sprawdzić, czy dana krawędź jest mostem można posłużyć się algorytmem Floyda-Warshalla szukania wszystkich dróg w grafie.

ALGORYTM BELLMANA-FORDA



Algorytm Bellmana-Forda ma zastosowanie wtedy, gdy niektóre krawędzie w grafie posiadają krawędzie o wagach ujemnych, jednak nie występuje ujemny cykl (*negative cycle*), który by spowodował możliwość dowolnego skrócenia każdej ścieżki w grafie, która może przejść przez ten cykl. Algorytm ten dokonuje $n-1$ obiegów wszystkich wierzchołków u o drodze $\text{dist}(u) < \infty$ celem tzw. **relaksacji krawędzi** powodując wyznaczenie dla każdego incydentnego wierzchołka v i łączącej ich krawędzi $u-v$ drogi krótszej, jeśli $\text{dist}(v) > \text{dist}(u) + \text{dist}(u-v)$. Wtedy również dla wierzchołka v zaznaczamy, iż jego poprzednikiem jest wierzchołek u . Jeśli w którymś z cykli nie doszło do żadnej aktualizacji drogi, kończymy algorytm. Jeśli aktualizacji trwały przez $n-1$ cykle, wtedy należy wykonać jeszcze n -ty obieg, w którym sprawdzamy, czy nie dojdzie do kolejnej aktualizacji najkrótszej drogi któregoś z wierzchołków, co oznacza, iż graf zawiera **cykl ujemny**.



W powyższym przykładzie kolejny obieg nie wniesie już żadnych zmian, więc zakończy pozytywnie działanie algorytmu.

Można więc teraz wyznaczyć najkrótszą drogę od wierzchołka 0 do każdego innego, np. wierzchołka nr 5:

Przykłady i algorytmy można znaleźć na:

http://edufinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0138a.php

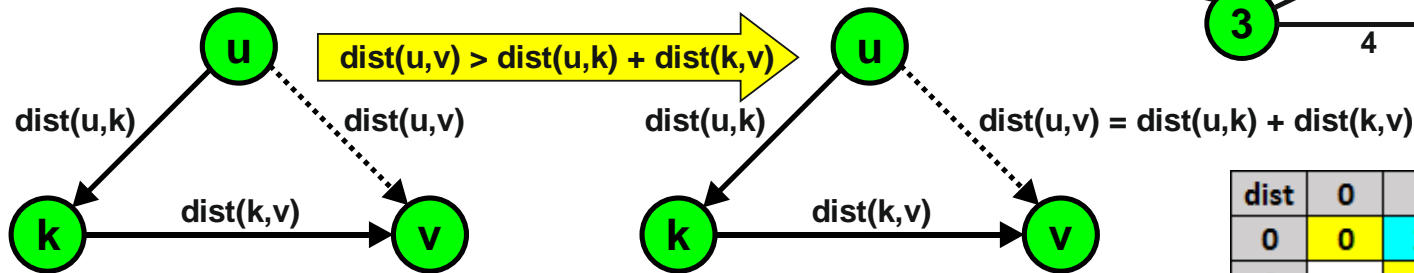
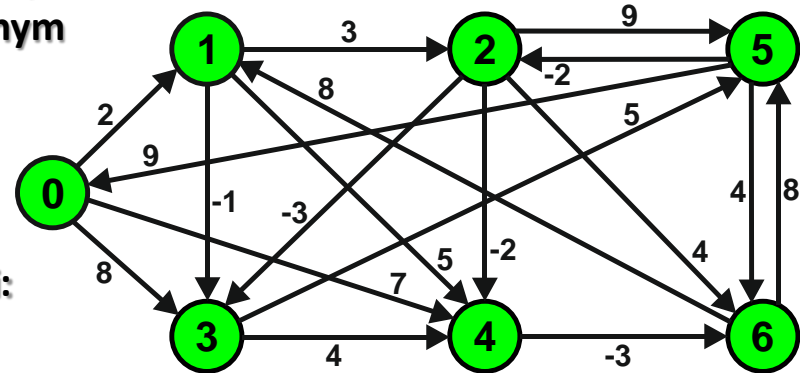
Node u:	0	1	2	3	4	5	6
Dist(u):	0	-1	2	-1	0	3	-3
Succ(u):	-1	0	1	2	2	6	4

ALGORYTM FLOYDA-WARSHALLA



Algorytm Floyd-Warshalla umożliwia określenie najkrótszej ścieżki pomiędzy wszystkimi parami wierzchołków w grafie ważonym mogącym zawierać ujemne wagi, lecz nie ujemne cykle.

Algorytm zakłada, iż jeśli droga pośrednia przez jakiś wierzchołek jest krótsza, wtedy należy nią zastąpić tą wcześniej wyznaczoną lub ew. jej brak (waga = ∞), jeśli nie istnieje krawędź bezpośrednio łącząca wierzchołki:



dist	0	1	2	3	4	5	6
0	0	2	∞	8	7	∞	∞
1	∞	0	3	-1	5	∞	∞
2	∞	∞	0	-3	-2	9	4
3	∞	∞	∞	0	4	5	∞
4	∞	∞	∞	∞	0	∞	-3
5	9	∞	-2	∞	∞	0	4
6	∞	8	∞	∞	∞	8	0

Algorytm tworzy macierz $N \times N$, gdzie N to ilość wierzchołków grafu, inicjuje ją wartościami wag krawędzi albo plus nieskończonością, jeśli krawędź nie istnieje, zaś na głównej przekątnej umieszcza zera, wskazujące zerowy koszt przejścia wierzchołka do samego siebie.

Algorytm Floyd-Warshalla następnie wykonuje kolejne iteracje po wierzchołkach pośrednich k oraz po parach wierzchołków w macierzy dokonując aktualizacji długości ścieżek w następujący sposób:

Jeśli $\text{dist}(u,v) > \text{dist}(u,k) + \text{dist}(k,v)$ dochodzi do podstawienia wartości: $\text{dist}(u,v) = \text{dist}(u,k) + \text{dist}(k,v)$.

Algorytm wymaga zastosowania trzech pętli obliczeniowych, gdyż musi wykonać przejść po wszystkich parach wierzchołków ($N \times N$) oraz wszystkich możliwych wierzchołkach pośrednich.

ALGORYTM FLOYDA-WARSHALLA



Algorytm 1 *Floyda-Warshalla*: szukania najkrótszej drogi pomiędzy wszystkimi parami wierzchołków w grafie ważonym $G = (V, E, w)$.

dla wszystkich wierzchołków $u, v \in V$ wykonuj

jeśli $e = \{u, v\}$ jest krawędzią w G to

$$d_u^v := w(e)$$

$$p_u^v := v$$

w przeciwnym przypadku

$$d_u^v := \infty$$

$$p_u^v := \text{"niezdefiniowane"}$$

dla każdego wierzchołka $x \in V$ wykonuj

dla każdego wierzchołka $u \in V$ wykonuj

dla każdego wierzchołka $v \in V$ wykonuj

jeżeli $d_u^v > d_u^x + d_x^v$ to

$$d_u^v := d_u^x + d_x^v$$

$$p_u^v := p_u^x$$

Po zakończeniu działania algorytmu wartość p_u^v określa kolejny wierzchołek na minimalnej ścieżce z u do v . Istnieje nieznaczne uproszczenie tego algorytmu, (tzw. algorytm **Bellmana-Forda**), które znajduje najkrótszą drogę pomiędzy tylko jedną parą wierzchołków, ale złożoność obu algorytmów jest tego samego rzędu $O(|V|^3)$.

ALGORYTMY A*



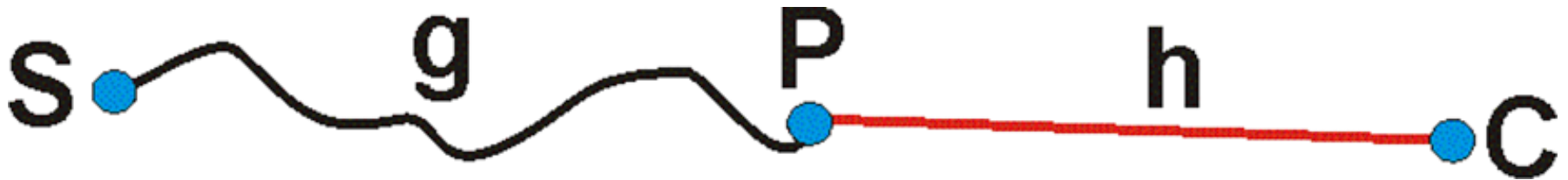
Nawigacje satelitarne nie używają zwykle algorytmu Dijkstry, gdyż trwałoby to za długo!

Algorytm A* SEARCH stosowany w GPSach oraz maps.google.pl do wyznaczania najkrótszej drogi w grafie pomiędzy dwoma wierzchołkami S i C.

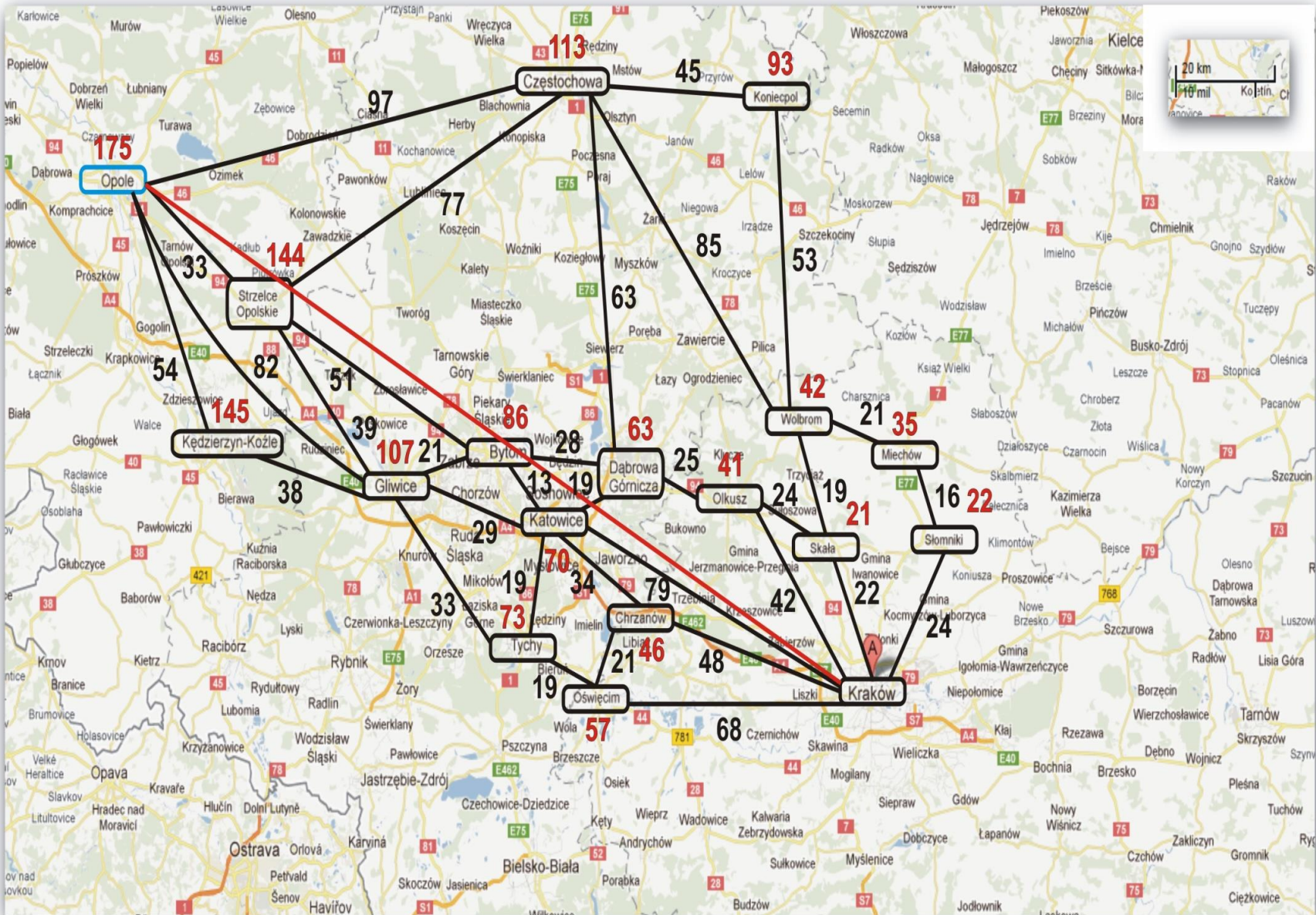
Algorytm A* minimalizuje funkcję kosztu: $f = g + h$

g – to faktycznie przebyta odległość od wierzchołka początkowego P do aktualnego w grafie

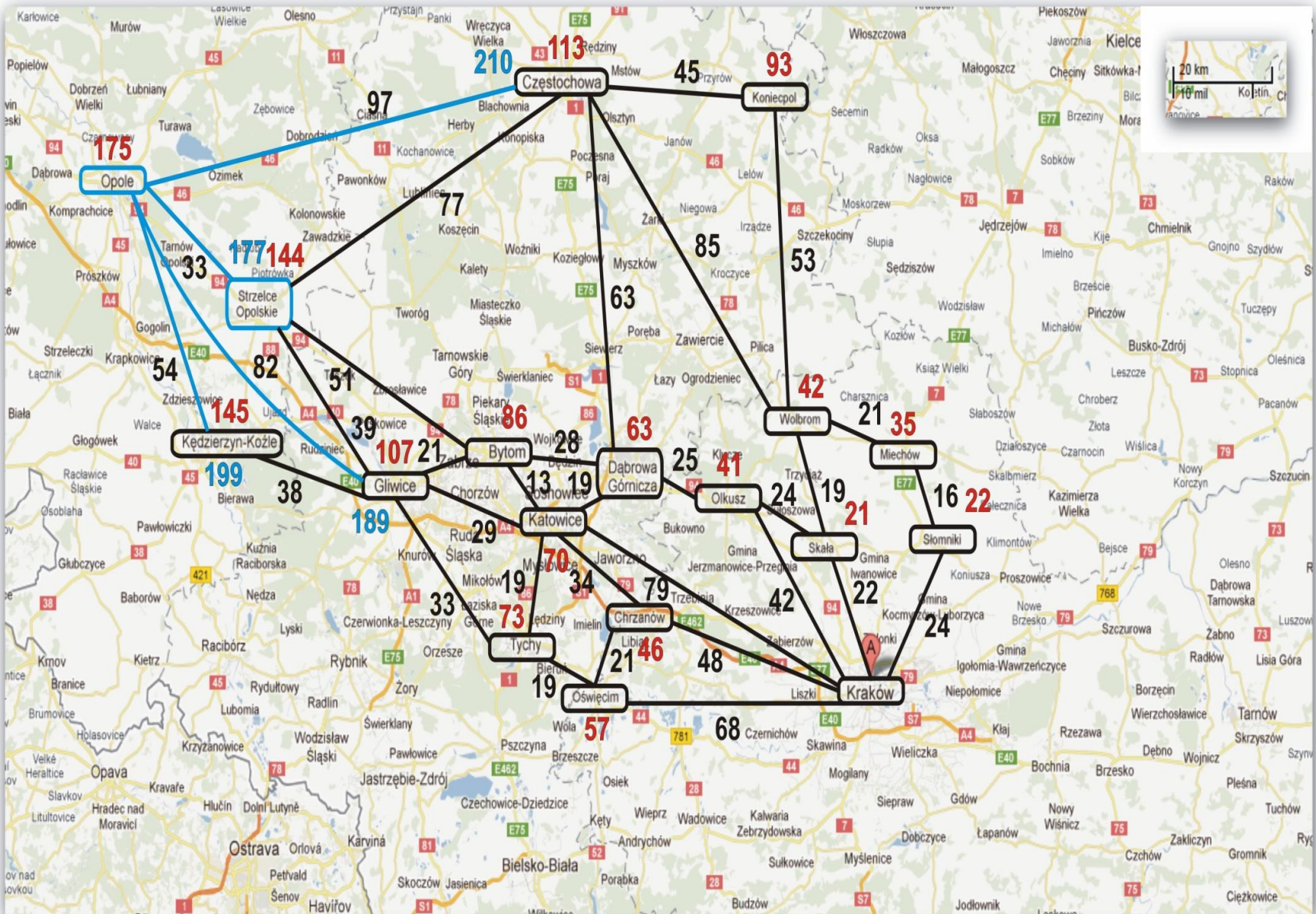
h – to szacowana optymistyczna, nie większa niż rzeczywista odległość od aktualnego wierzchołka w grafie do wierzchołka celu C



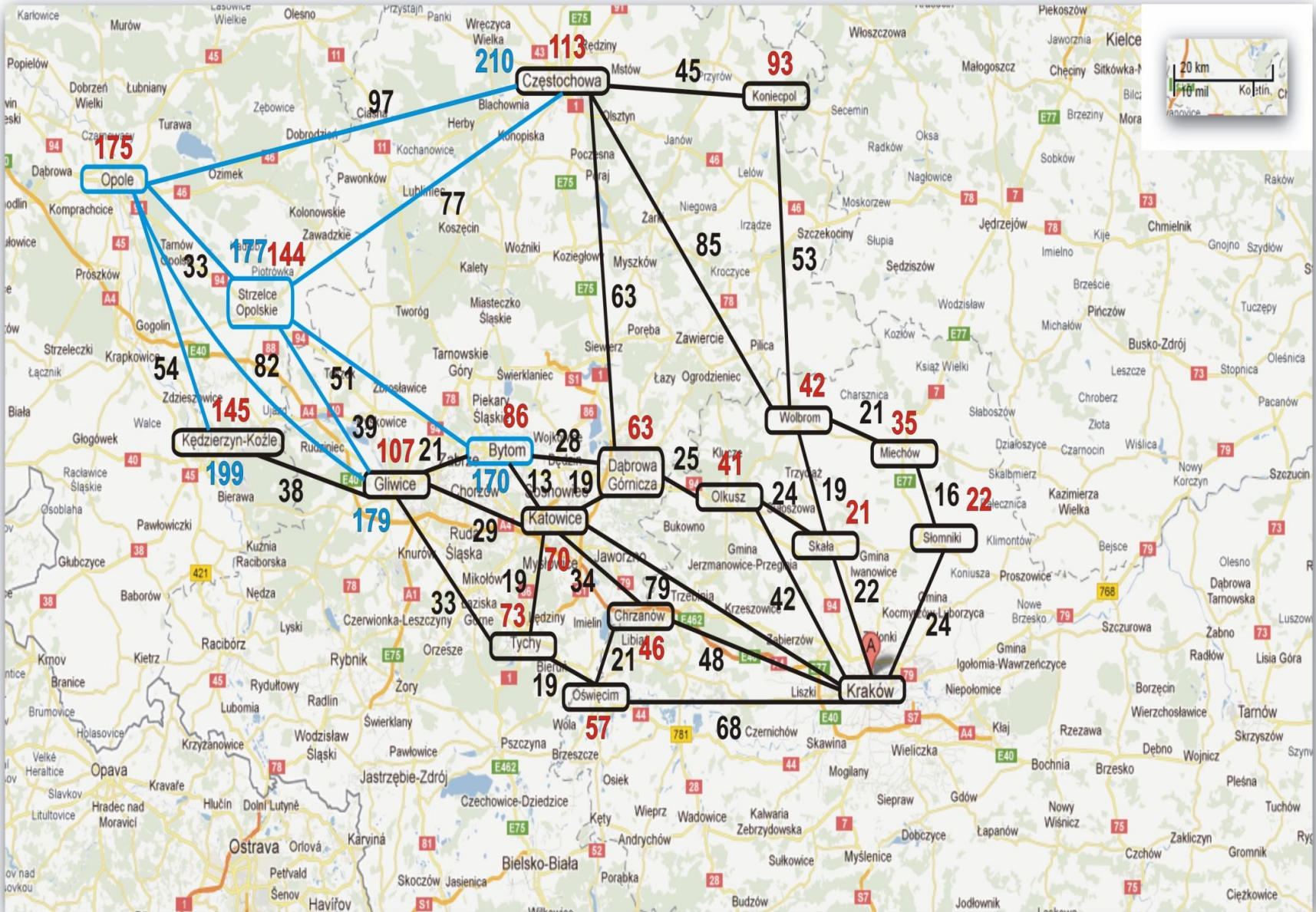
ALGORYTM A*



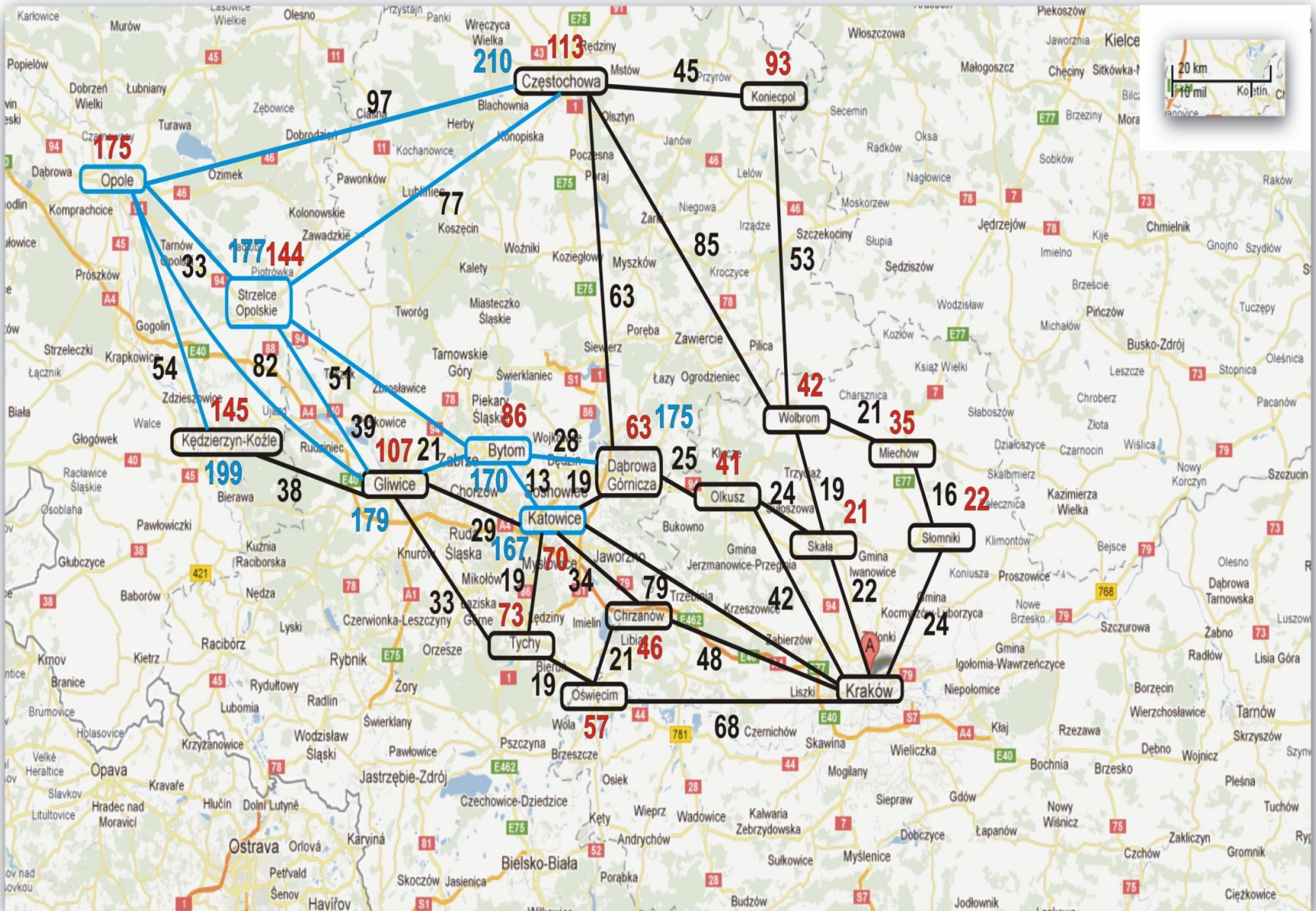
ALGORYTM A*



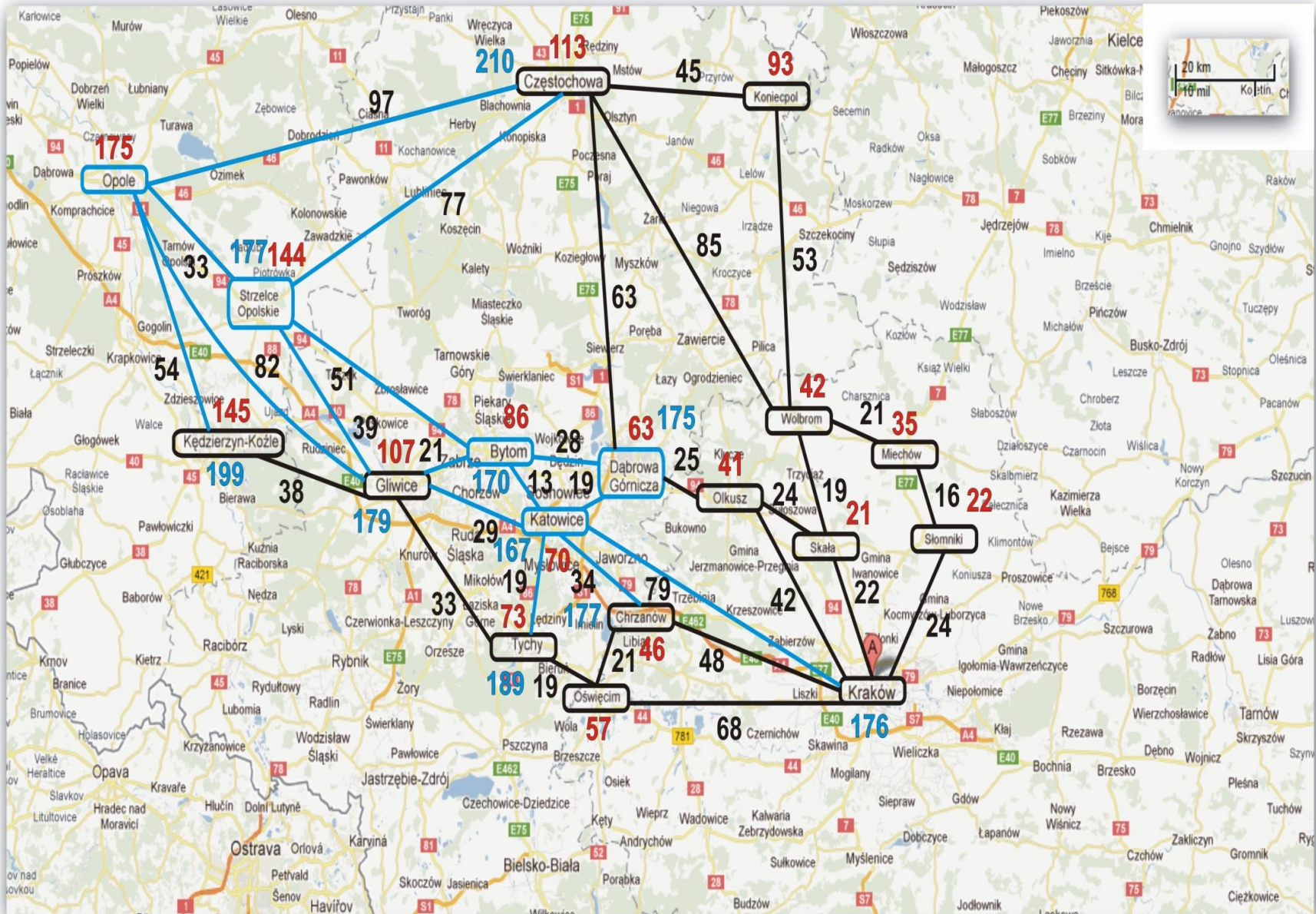
ALGORYTM A*



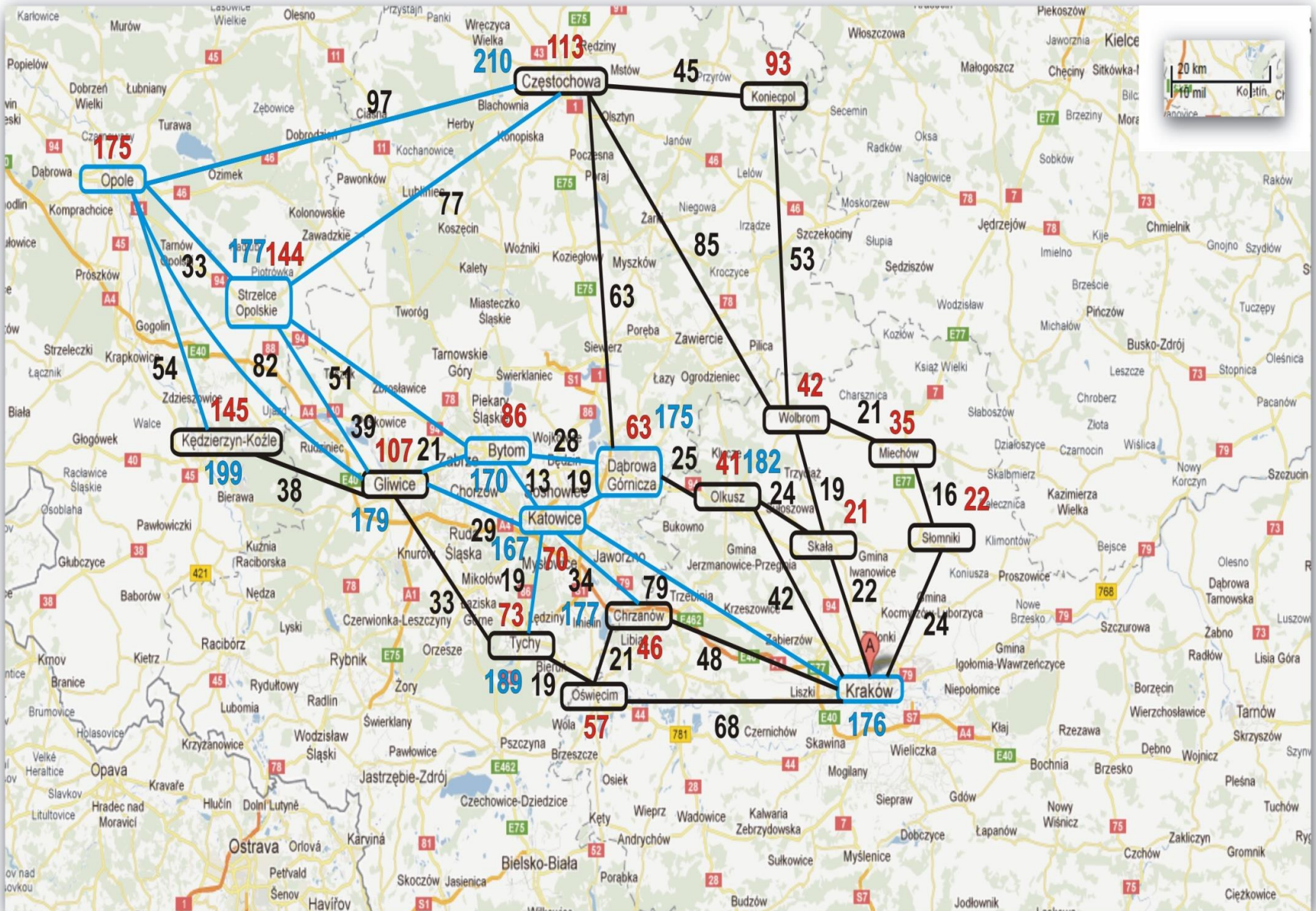
ALGORYTM A*



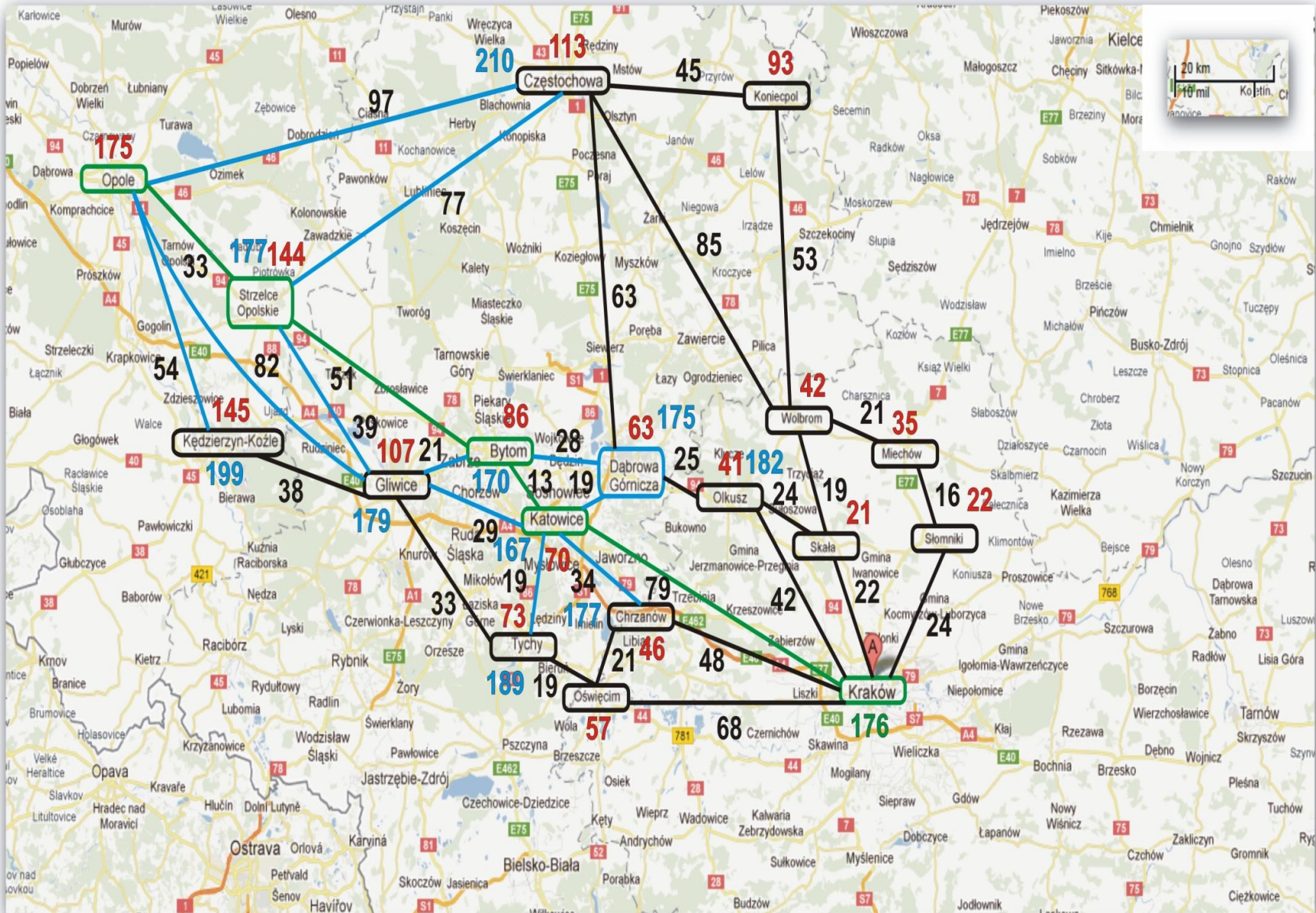
ALGORYTM A*



ALGORYTM A*



ALGORYTM A*



TABELE i TABLICE kontra GRAFY!



FAKT: Najczęściej dane przechowujemy w tablicach i tabelach (bazodanowych).

PYTANIE: Dlaczego?

MOŻLIWE ODPOWIEDZI I MITY:

- Ponieważ to proste i intuicyjne.
- Tak nas nauczono w szkole / na studiach.
- Dzięki bezpośredniemu adresowaniu poszczególnych komórek pamięci mamy błyskawiczny (w czasie stałym) dostęp do poszczególnych danych w przechowywanych w tabelach.
- W tabelach wszystko widzimy lub możemy łatwo wyszukać.
- Tabelę możemy przechować przy pomocy tablic w pamięci RAM, która ma strukturę tablicy bajtów, oraz na dysku, który ma strukturę powiązanych sekwencyjnie bloków, które też są tablicami, więc najlepiej się nadają do ich przechowywania!
- (Prawie) wszyscy tak robią (zasada owczego pędu).

ZDERZENIE Z FAKTAMI Z BIOLOGII: Dlaczego w naszym mózgu nie ma tabel?

Dlaczego biologiczne systemy używają grafowych neuronowych struktur do przechowywania danych, informacji i wiedzy a nie tabel czy tablic?

SAMPLE OBJECTS	ATTRIBUTES				CLASS LABEL
	SEPAL LENGTH	SEPAL WIDTH	PETAL LENGTH	PETAL WIDTH	
O1	5.4	3.0	4.5	1.5	Versicolor
O2	6.3	3.3	4.7	1.6	Versicolor
O3	6.0	2.7	5.1	1.6	Versicolor
O4	6.7	3.0	5.0	1.7	Versicolor
O5	6.0	2.2	5.0	1.5	Virginica
O6	5.9	3.2	4.8	1.8	Versicolor
O7	6.0	3.0	4.8	1.8	Virginica
O8	5.7	2.5	5.0	2.0	Virginica
O9	6.5	3.2	5.1	2.0	Virginica

PRAWDZIWE OBLCICZE TABEL I TABLIC



TABELE I TABLICE:

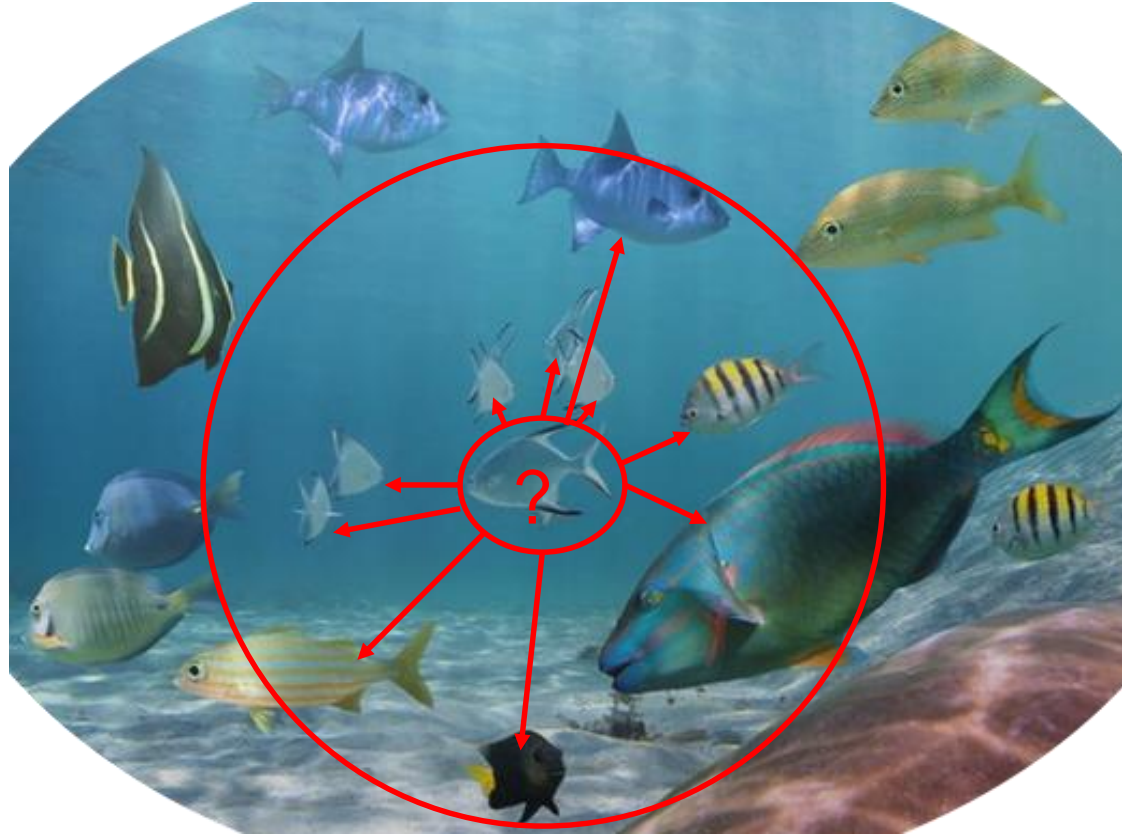
- Tak, są bardzo proste dlatego uniemożliwiają efektywną reprezentację bogactwa relacji pomiędzy danymi, np. relacji wertykalnych, tj. minima, maksima, sąsiedztwa, podobieństwa, duplikacji, średnich, median, sum...!
- Nie można równocześnie posortować wartości wszystkich atrybutów tabel i tablic.
- Intuicyjne?! Kto z Państwa chce się nauczyć na pamięć kilku tabelek danych na egzamin ze Wstępu do informatyki?
- Tak, dostęp jest szybki, gdyż pamięci komputerowe projektowano w oparciu o tablice, ALE już bardzo powszechne operacje wstawiania czy usuwania z posortowanych tablic/tabel danych wymagają sporo (liniowego) czasu!
- W tabelach praktycznie nic nie widzimy, co najwyżej definicje poszczególnych obiektów/rekordów/encji zdefiniowanych za pośrednictwem wartości zbioru atrybutów, NATOMIAST całą resztę często pożądaných relacji MUSIMY SZUKAĆ!
- Szukanie w tablicach to wykonywanie różnych (czasami zagnieżdżonych) pętli i ewaluacja różnych warunków, a to kosztuje cenny czas obliczeń i niepotrzebnie zwiększa złożoność obliczeniową algorytmów operujących na tablicach i tabelach.
- Polak jest przekorny. Zróbmy inaczej, mądrzej... wzorujemy się na naszym mózgu!

SAMPLE OBJECTS	ATTRIBUTES				CLASS LABEL
	SEPAL LENGTH	SEPAL WIDTH	PETAL LENGTH	PETAL WIDTH	
O1	5.4	3.0	4.5	1.5	Versicolor
O2	6.3	3.3	4.7	1.6	Versicolor
O3	6.0	2.7	5.1	1.6	Versicolor
O4	6.7	3.0	5.0	1.7	Versicolor
O5	6.0	2.2	5.0	1.5	Virginica
O6	5.9	3.2	4.8	1.8	Versicolor
O7	5.0	3.0	4.8	1.8	Virginica
O8	5.7	2.5	5.0	2.0	Virginica
O9	6.5	3.2	5.1	2.0	Virginica

PORÓWNANIE SZYBKOŚCI I EFEKTYWNOŚCI



Porównajmy szybkość działania algorytmu K Najbliższych Sąsiadów, stosowanego do klasyfikacji obiektów, operującego na tabelach oraz grafach AGDS:



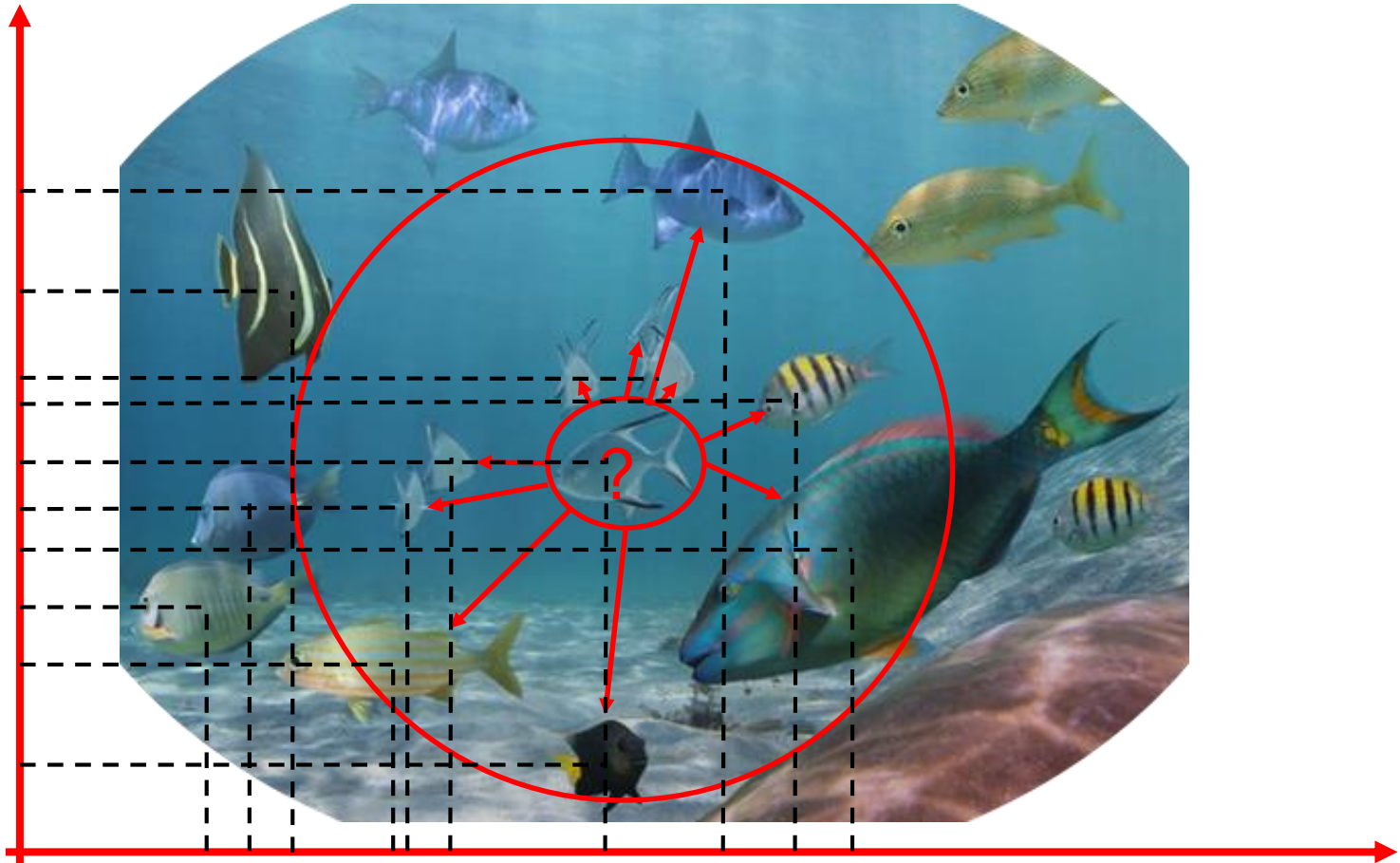
- Zadaniem jest określenie klasy (grupy, rodzaju) obiektu na podstawie znanych klas (grup, rodzajów) jego k najbliższych sąsiadów.
- Operując na tabeli znanych obiektów, musimy je w pętli wszystkie przejrzeć i obliczyć odległość (np. Euklidesa) klasyfikowanego obiektu do nich, gdyż tabela nie udostępnia nam wiedzy o sąsiedztwie (relacji), więc musimy szukać w pętli!



GRAFY AGDS JAKO MODEL PRZESTRZENI

Jeśli wykorzystamy asocjacyjną grafową strukturę danych AGDS, wtedy:

- Grafowa uporządkowana organizacja obiektów względem ich położenia w dowolnej N-wymiarowej przestrzeni pozwoli nam na szybkie odnalezienie najbliższych sąsiadów niezależnie od wielkości zbioru przechowującego obiekty!
- W **AGDS**ach przeszukujemy tylko sąsiednie obiekty w przestrzeni:

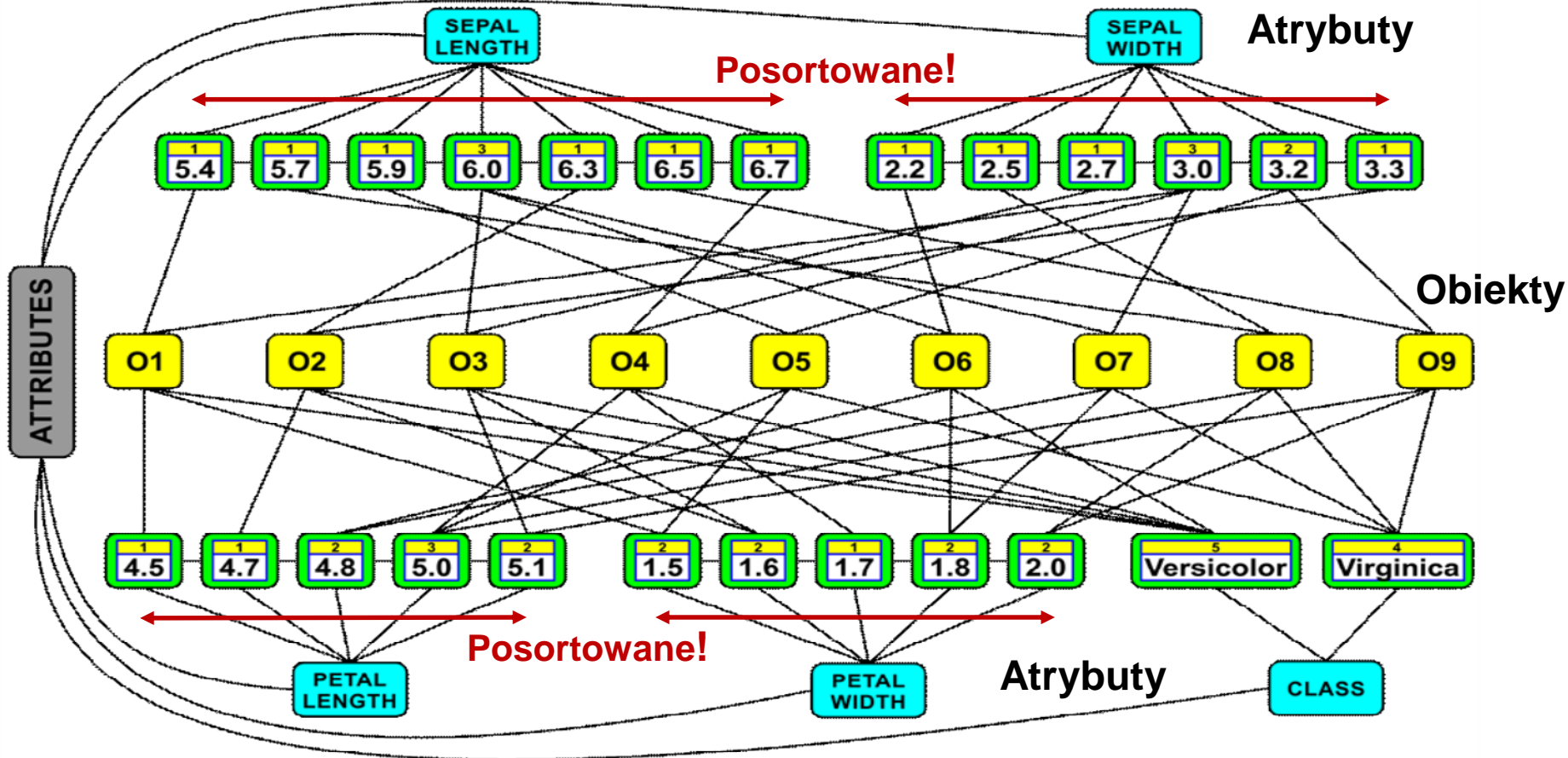


ASOCJACYJNE GRAFOWE STRUKTURY DANYCH



W podstawowej wersji Asocjacyjne Grafowe Struktury Danych AGDS składają się z:

- węzłów reprezentujących zagregowane, policzone i posortowane wartości poszczególnych atrybutów obiektów (rekordów, encji),
- węzłów reprezentujących zagregowane i policzone (jeśli w zbiorze danych występują duplikaty obiektów) obiekty (rekordy, encje).





TRANSFORMACJA TABEL DO GRAFÓW AGDS

Chcąc uzyskać wyższą efektywność obliczeń na rzeczywistych danych, możemy dokonać asocjacyjnej transformacji tabel lub tablic do grafowej struktury danych **AGDS**, która umożliwi taką ich reprezentację, iż minima, maksima, wartości sąsiednie i obiekty podobne będą dostępne w czasie stałym, a wyznaczenie niektórych relacji wertykalnych, tj. sumy, średnie czy mediany, będzie szybsze niż dla tablic w przypadku, gdy dane zawierają duplikaty:

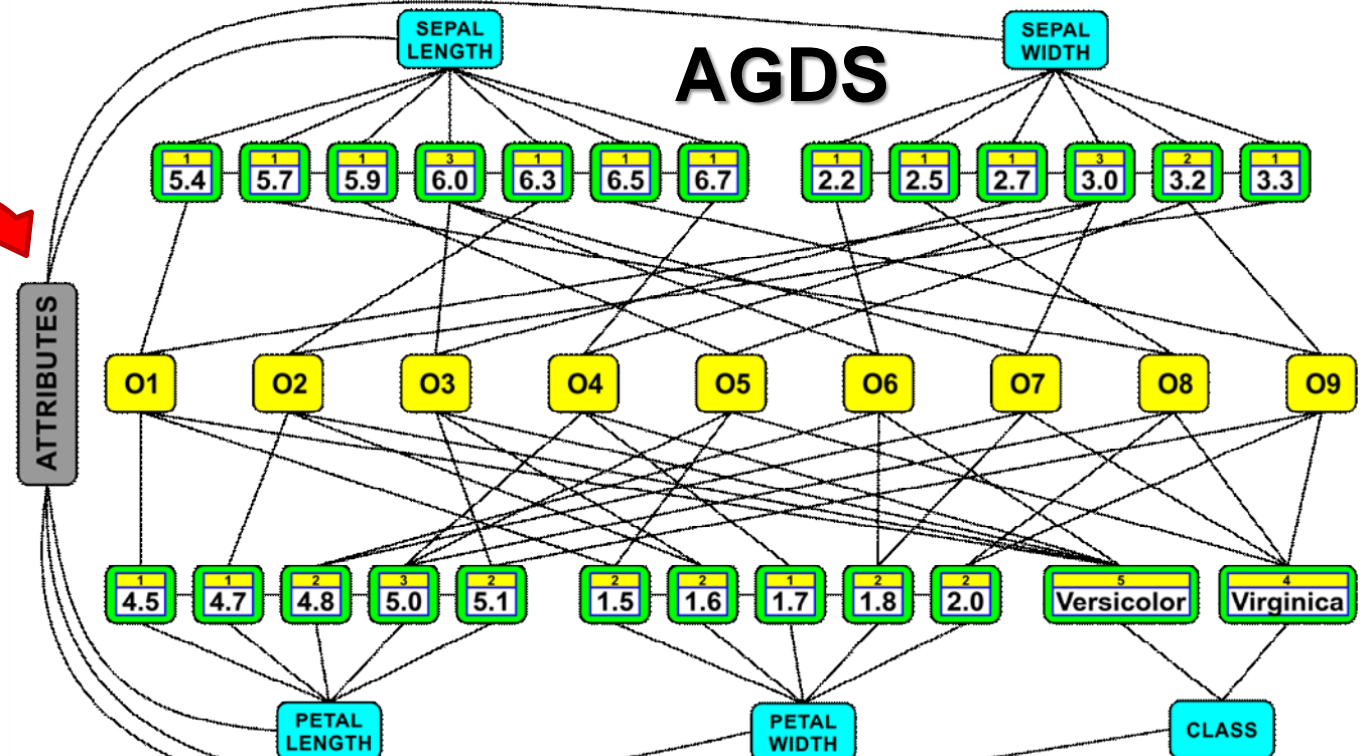
$$SUM = \sum_{ELEMENTS} KEY \cdot COUNTER$$

$$COUNT = \sum_{ELEMENTS} COUNTER$$

$$AVERAGE = SUM / COUNT$$



SAMPLE OBJECTS	ATTRIBUTES				CLASS LABEL
	SEPAL LENGTH	SEPAL WIDTH	PETAL LENGTH	PETAL WIDTH	
O1	5.4	3.0	4.5	1.5	Versicolor
O2	6.3	3.3	4.7	1.6	Versicolor
O3	6.0	2.7	5.1	1.6	Versicolor
O4	6.7	3.0	5.0	1.7	Versicolor
O5	6.0	2.2	5.0	1.5	Virginica
O6	5.9	3.2	4.8	1.8	Versicolor
O7	6.0	3.0	4.8	1.8	Virginica
O8	5.7	2.5	5.0	2.0	Virginica
O9	6.5	3.2	5.1	2.0	Virginica



PORÓWNANIE WYNIKÓW KNN dla TABEL i AGDS



Poniższa tabela prezentuje porównanie wyników klasyfikacji metodą K Najbliższych Sąsiadów operującą na różnych zbiorach danych przechowywanych w tabeli oraz w grafach AGDS. Dla tabel czas obliczeń rośnie wraz z ilością danych, zaś dla grafów jest prawie stały:

Dataset	Number of instances	Number of attributes	kNN classification time [ms]	kNN+AGDS classification time [ms]	kNN+AGDS construction time [ms]
Iris	150	4	0.10	0.08	1
Banknote	1372	4	0.29	0.09	5
HTRU2	17898	8	3.14	0.09	134
Shuttle	43500	9	7.67	1.06	278
Credit Card	30000	23	8.69	1.07	499
Skin	245057	3	26.87	1.10	683
Drive	58509	48	46.15	1.24	2224
HEPMASS	1048576	28	362.32	1.41	31214

SORTOWANIE TOPOLOGICZNE GRAFÓW



Sortowanie topologiczne (*topological sort*) polega na utworzeniu listy wierzchołków grafu skierowanego acyklicznego (*directed acyclic graph*) ułożonych w taki sposób, aby każdy wierzchołek znalazł się w liście przed swoimi sąsiadami.

Przykłady i algorytmy można znaleźć: http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0137.php

Inne ciekawe, klasyczne i zalecane do przestudiowania zagadnienia z teorii grafów:

1. Problem chińskiego listonosza: http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0139.php
2. Problem komiwojażera: http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0140.php
3. Algorytm Kruskala tworzenia minimalnego drzewa rozpinającego nad grafem: http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0141.php
4. Problem optymalnego kolorowania grafu: http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0142.php
5. Znajdowanie podgrafów pełnych (klik) w grafie: http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0143.php

BIBLIOGRAFIA I LITERATURA UZUPEŁNIAJĄCA



1. L. Banachowski, K. Diks, W. Rytter: „Algorytmy i struktury danych”, WNT, Warszawa, 2001.
2. Z. Fortuna, B. Macukow, J. Wąsowski: „Metody numeryczne”, WNT, Warszawa, 1993.
3. J. i M. Jankowscy: „Przegląd metod i algorytmów numerycznych”, WNT, Warszawa, 1988.
4. A. Kiełbasiński, H. Schwetlick: „Numeryczna algebra liniowa”, WNT, Warszawa 1992.
5. M. Sysło: „Elementy Informatyki”.
6. A. Szepietowski: „Podstawy Informatyki”.
7. R. Tadeusiewicz, P. Moszner, A. Szydełko: „Teoretyczne podstawy informatyki”.
8. W. M. Turski: „Propedeutyka informatyki”.
9. N. Wirth: „Wstęp do programowania systematycznego”.
10. N. Wirth: „ALGORYTMY + STRUKTURY DANYCH = PROGRAMY”.
11. Grafy: <http://www.redblobgames.com/pathfinding/a-star/implementation.html>
12. Złożoność obliczeniowa: http://xion.org.pl/files/texts/mgt/pdf/M_B.pdf
13. Sortowanie w Pythonie: <https://docs.python.org/2/howto/sorting.html?highlight=complexity>
14. Algorytmy i struktury danych: http://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0123.php
15. A. Horzyk, [Sztuczne systemy skojarzeniowe i asocjacyjna sztuczna inteligencja](#), monografia, Akademicka Oficyna Wydawnicza EXIT, Warszawa, 2013.
16. A. Horzyk, [Associative Graph Data Structures with an Efficient Access via AVB+trees](#), In: 2018 11th International Conference on Human System Interaction (HSI 2018), IEEE Xplore, pp. 169 - 175, 2018, DOI: [10.1109/HSI.2018.8430973](https://doi.org/10.1109/HSI.2018.8430973).
17. A. Horzyk and K. Góldon, [Associative Graph Data Structures Used for Acceleration of K Nearest Neighbor Classifiers](#), In: 27th International Conference on Artificial Neural Networks (ICANN 2018), Springer-Verlag, LNCS 11139, pp. 648-658, 2018.